

## Отзыв

на автореферат диссертации Казиминова Петра Алексеевича на тему «Генетическая структура популяций волка России и факторы её формирования», представленной на соискание учёной степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 - генетика

Изучение волка вызывает повышенный интерес, поскольку это вид проявляет удивительную выживаемость и адаптацию к обитанию в разных средах, несмотря на длительную историю антагонистических отношений с человеком. В последние десятилетия произошла переоценка значения и роли этого вида для сохранения экосистем (как регулятора численности других видов), но проблема его взаимоотношения с человеком сохраняется, особенно на территориях, где антропогенный пресс на волка незначителен. В России таких территорий достаточно много, что со снижением охотничьего промысла, вызывает экспансию этого вида, сопровождающуюся в ряде мест сокращением численности диких и домашних копытных животных, а также рисками и угрозами, связанными с образованием гибридных волче - собачьих стай и распространением болезней (бешенство и др.). Таким образом, возникает задача нахождения оптимальной стратегии, в которой должен быть соблюден баланс между сохранением этого вида и регулированием его численности. Одним из решений задачи является изучение генетической структуры популяций волка, поэтому актуальность представленной работы очевидна.

Соискателем собран большой объём фактического материала (878 образцов от животных), который был проанализирован с помощью двух молекулярно-генетических маркеров – ядерных микросателлитных локусов и мтДНК. Исследование генетической структуры волка на территории России с применением двух маркеров проведено впервые, что дало возможность провести сравнительный анализ и подтвердить достоверность обоих подходов для оценки генетического разнообразия волка. Ценность работы

также заключается в том, что для повышения уровня анализа соискатель применил современные методы, используемые для изучения молекулярно-генетического полиморфизма.

По результатам диссертационного исследования было установлено, что популяции волка на территории России характеризуются высоким уровнем генетического разнообразия и слабой пространственной дифференциацией, что во многом связано с высокой миграционной активностью и эврибионтностью волка. Небольшое различие по ареалу наблюдается лишь между северными и южными его популяциями. Представленные результаты представляют научную новизну.

По структуре и содержанию автореферата замечаний нет.

Диссертационная работа соответствует требованиям, предъявляемым к диссертациям на соискание учёной степени кандидата биологических наук в соответствии с п.9 «Положения о порядке присуждения учёных степеней, утверждённого постановлением Правительства Российской Федерации от 24.09.2013 г. № 842, а её автор Казимиров Пётр Алексеевич заслуживает присвоения степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика.

Заведующий отделом мониторинга и  
опытных работ в охотничьем хозяйстве  
ФГБУ «Федеральный научно-исследовательский  
центр развития охотничьего хозяйства»,  
канд. биол. наук

А.В. Давыдов

105118. г. Москва, ул. Вольная, д. 13,  
ФГБУ «Федеральный научно-исследовательский  
центр развития охотничьего хозяйства»,  
тел. 8 (495) 783-69-87

Подпись Давыдова Андрея Васильевича заверяю.  
Ведущий специалист по кадрам административно-хозяйственного отдела Федерального  
Государственного бюджетного учреждения «Федеральный научно-исследовательский центр развития  
охотничьего хозяйства»  
Селиверстова Я.И.

