СОДЕРЖАНИЕ

Том 59, номер 4, 2023

Обзорные и теоретические статьи

Литературный обзор *NBAS*-ассоциированных патологий. Все ли найдены?

Л. Р. Жожиков, Ф. Ф. Васильев, Н. Р. Максимова

371

Регуляторный потенциал ко-локализованных с генами кардиомиопатий некодирующих РНК

А. Н. Кучер, М. С. Назаренко

381

Генетика микроорганизмов

Генетически изолированная популяция дрожжей *Saccharomyces bayanus* в Новой Зеландии и Австралии

А. Н. Боровкова, Г. И. Наумов, А. В. Шнырева, Е. С. Наумова

403

Генетика растений

Новый аллель 5'-UTR *LcyE* коррелирует с повышенной экспрессией гена ликопин-ε-циклазы, определяющей поток ветви β-ε пути биосинтеза каротиноидов у кукурузы

Д. Х. Архестова, Г. И. Ефремов, С. П. Анпаев, Е. З. Кочиева, А. В. Щенникова

417

Генетика животных

Генетическая дифференциация и родственные связи *Cottus kolyomensis* Sideleva et Goto, 2012 (Cottidae)

О. А. Радченко, И. Н. Морева, А. В. Петровская

425

Мониторинг генетической структуры популяции соболя (*Martes zibellina* Linnaeus, 1758) Среднего Приамурья

Л. В. Фрисман, А. Л. Брыкова

437

Генетическая интрогрессия в популяциях двух близких видов *Adalia frigida* (Schneider, 1792) и *Adalia bipunctata* (Linnaeus, 1758) (Coleoptera: Coccinellidae) в зоне симпатрии

Д. А. Романов, Е. В. Шайкевич, И. А. Захаров

448

Информативность 11 микросателлитных локусов для экспертной ДНК-идентификации диких и фермерских норок американских (*Mustela vison*) в Беларуси

О. Н. Лукашкова, Е. А. Спивак, С. А. Котова

460

Генетика человека

Полиморфизм локуса rs1815739 гена *ACTN3* и влияющего на его экспрессию *cis*-eQTL rs11227639 в популяциях Сибири

Б. А. Малярчук, М. В. Деренко, Г. А. Денисова

474

Краткие сообщения

Ассоциация полиморфизма VNTR гена *AS3MT* с риском развития шизофрении

Г. И. Коровайцева, Т. В. Лежейко, И. В. Олейчик, В. Е. Голимбет

481

Хроника

Научная конференция с международным участием “Генетические процессы в популяциях”
(Москва, 11–14 октября 2022 г.)

Д. В. Политов, Е. А. Мудрик

487