

Наименование организации, осуществляющей образовательную деятельность Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук (ИОГен РАН)

### Справка

о научном руководителе аспирантов по основной образовательной программе высшего образования – программе подготовки научно-педагогических кадров в аспирантуре (06.06.01 Биологические науки – Генетика), заявленной на государственную аккредитацию

№ п/п	Ф.И.О. научного руководителя аспирантов	Условия привлечения (основное место работы: штатный, внутренний совместитель, внешний совместитель; по договору ГПХ)	ученая степень, ученое звание	Тематика самостоятельной научно-исследовательской (творческой) деятельности (участие в осуществлении такой деятельности) по направленности (профилю) подготовки, а также наименование и реквизиты документа, подтверждающие ее закрепление	Публикации в ведущих отечественных рецензируемых научных журналах и изданиях	Публикации в зарубежных рецензируемых научных журналах и изданиях	Апробация результатов научно-исследовательской (творческой) деятельности на национальных и международных конференциях с указанием темы статьи (темы доклада)
1.	Брускин Сергей Александрович	Штатный	кандидат биологических наук, доцент	Применение методов редактирования генома для изучения механизмов врожденного	1.Парамонов, А.А. Репертуар Т-клеточных рецепторов при некоторых иммунозависимых дерматозах / Парамонов, А.А., Каюмова ЛН, Брускин СА, Кочергин НГ, и др. // Российский журнал кожных и венерических болезней. - 2015.	1. Mezentsev, A.V. The potential benefits of silencing the transcription factor fosl1 for controlling psoriasis / A.V. Mezentsev, A.D. Zolotarev, E.V. Checkalin, A. Shalnikov et al. // Journal of Investigative Dermatology.- 2015.- № 135.-	1. Versatile reporter for multiplex analysis of the transcription factor activity in mammalian cells. The FEBS Congress 2018, Prague, Czech Republic, 7–12 July 2018. 2. Транскрипционный фактор FRA1 приводит к

				<p>иммунитета,</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>- № 4. - с. 34-40.</p> <p>2. Могулевцева, Ю.А. Оценка терапевтического потенциала РНК-интерференции интерстициальной коллагеназы для лечения псориаза / Ю.А. Могулевцева, А.В. Мезенцев, С.А. Брускин // Вестник РГМУ.- 2017.- №3.- с. 37 – 45</p> <p>3. Малошенок, Л.Г. Разработка методов селективной элиминации белков в растительных клетках. / Л.Г. Малошенок, И.А. Абдеева, Ю.С. Панина, Э.С. Пирузян, и др. // Генетика.- 2018.- Т.54, №11. - с. 1353–1357.</p> <p>4. Могулевцева, Ю.А., Мезенцев А.В., Брускин С.А.. Особенности протекания РНК-интерференции матриксной металлопротеиназы 1 в эпидермальных кератиноцитах, обработанных интерлейкином 17А. / Ю.А. Могулевцева, А.В. Мезенцев, С.А. Брускин// Вавиловский журнал генетики и селекции.- 2018.- Т.22, №4. - 425-432.</p> <p>5. Могулевцева, Ю.А., Мезенцев А.В., Брускин С.А.. Воздействие на физиологические эффекты фактора некроза опухоли посредством РНК-интерференции матриксной металлопротеиназы 1. / Ю.А. Могулевцева, А.В. Мезенцев,</p>	<p>C. S58.</p> <p>2. Zolotarenko, A.D CARD14 frameshift mutation via CRISPR/Cas genome editing leads to IL8 inhibition / A.D. Zolotarenko, A. Prelovskaya, S.A. Bruskin // Journal of Investigative Dermatology. - 2015. - № 135.- C.S7.</p> <p>3. Senik, S.V. Diacylglyceryltrimethylhomoserine content and gene expression changes triggered by phosphate deprivation in the mycelium of the basidiomycete <i>Flammulina velutipes</i> / S.V. Senik, L.G. Maloshenok, E.R. Kotlova, A.L. Shavarda et al. // Phytochemistry.- 2015.- № 117.- C. 34-42.</p> <p>4. Pavlov, A.R. Draft Genome Sequence of the Fungus <i>Trametes hirsuta</i> 072 / A.R. Pavlov, T.V. Tyazhelova, K.V. Moiseenko, D.V. Vasina et al. //Genome Announc.- 2015.- № 3(6).</p> <p>5. Zolotarenko, A.D. FRA1 as the regulator of psoriasis-associated hyperproliferation and EMT transition of keratinocytes / A.D. Zolotarenko, A. Prelovskaya, E.V. Chekalin, E.S. Piruzian et al. // Journal of Investigative Dermatology.- 2016.- № 136</p>	<p>амплификации воспаления и образованию бляшек при псориазе. III международный конгресс по регенеративной медицине, Москва, 15-17 ноября 2017 г.</p> <p>3. CRISPR/Cas9–mediated generation of a cell line with psoriasis-associated polymorphism in CARD14 gene. Клиническая протеомика. Постгеномная медицина, Москва, 30 октября - 1 ноября 2017 г.</p> <p>4. Evolution of evolution: changing of human adaptation reaction from the Bronze Age to the modern time. ISEMPH Meeting, Durham, NC, USA, 22-25 June 2016.</p> <p>5. Исследование роли металлопротеиназ в патогенезе псориаза. Сборник трудов Всероссийской конференции «50 лет ВОГиС: успехи и перспективы» 8-10 ноября 2016 г., г. Москва</p>
--	--	--	--	----------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

				<p>С.А. Брускин // Генетика.- 2018.- т.54, № 8.- с. 960–966.</p>	<p>(9S, S2).- С. S222.</p> <p>6. Morozova, I. Toward high-resolution population genomics using archaeological samples / I. Morozova, P. Flegontov, A.S. Mikheyev, S.A. Bruskin et al. // DNA Res.- 2016.- № 23(4).- С.295-310.</p> <p>7. Tatarinova, T.V. Nucleotide diversity analysis highlights functionally important genomic regions / T.V. Tatarinova, E.V. Chekalin, Y. Nikolsky, S.A. Bruskin et al. // Scientific Reports 6.- 2016.- № 35730</p> <p>8. Moiseenko, K.V. Laccase multigene families in Agaricomycetes / K.V. Moiseenko, L.G. Maloshenok, D.V. Vasina, S.A. Bruskin et al. // J Basic Microbiol. - 2016.</p> <p>9. Zolotarenko, A.D. Integrated computational approach to the analysis of RNA-seq data reveals new transcriptional regulators of psoriasis / A.D. Zolotarenko, E.V. Chekalin, A.V. Mesentsev, L. Kiseleva et al. // Experimental &amp; Molecular Medicine.- 2016.- № 48 (11).- e268.</p> <p>10. Zolotarenko, A.D. Identification of Transcriptional Regulators of Psoriasis from</p>	
--	--	--	--	------------------------------------------------------------------	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	--

						<p>RNA-Seq Experiments. In Biological Networks and Pathway Analysis / A.D. Zolotarenko, E.V. Chekalin, R. Mehta, A. Baranova et al. // Humana Press.- 2017.- C. 355-370.</p> <p>11. Zolotarenko, A. Housekeeping gene selection and validation for qPCR analysis of psoriasis / A. Zolotarenko, E.V. Chekalin, A. Prelovskaya, S.A. Bruskin // Journal of Investigative Dermatology. - 2017.- № 137 (10S, S2).- C. S269.</p> <p>12. Mogulevtseva, J.A. Silencing matrix metalloproteinase 1 in epidermal keratinocytes can be beneficial for psoriasis / J.A. Mogulevtseva, A.V. Mezentsev, S.A. Bruskin, E.S. Piruzian // Journal of Investigative Dermatology.- 2017.- № 137 (10S, S2).- C. S310.</p> <p>13. Prelovskaya, A. Silencing the transcription factor FOSL1 in hyperproliferative HaCaT cells makes them susceptible to IFN-<math>\gamma</math> / A. Prelovskaya, A. Mezentsev, E. Piruzian, A.G. Soboleva et al. // Immunology, Endocrine &amp; Metabolic Agents in Medicinal Chemistry.- 2016. - №16 (3). - C. 199 – 209.</p>
--	--	--	--	--	--	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>14. Mogulevtseva, J.A. Matrix Metalloproteinase 1 deficiency in Epidermal Keratinocytes Makes them Susceptible to IFN-<math>\gamma</math> and Impairs their Migration / J.A. Mogulevtseva, A.V. Mezentsev, S.A. Bruskin, E.S. Piruzyan // J Invest Dermatol.- 2018.- № 138(9) LB1477.- C. B2-B2</p> <p>15. Zolotarenko, A. IQGAP3 could be a promising target link for breaking the vicious circle of psoriasis / A. Zolotarenko, A. Gurskaya, A. Khan, E. Chekalin et al. // J Invest Dermatol.- 2018.- № 138(9) LB1477.- C. B2-B2.</p> <p>16. Khalilipour, N. Familial Esophageal Squamous Cell Carcinoma with damaging rare/germline mutations in KCNJ12/KCNJ18 and GPRIN2 genes / N. Khalilipour, A. Baranova, A. Jebelli, A. Heravi-Moussavi et al. // Cancer Genet.- 2018.- № 221.- C. 46-52.</p> <p>17. Abdeeva, I.A. Search for partner proteins of A.thaliana immunophilins involved in the control of plant immunity / I.A. Abdeeva, G.V. Pogorelko, L.G. Maloshenok, M.V. Mokrykova et al. // Molecules.- 2018.- №23 (4).- C. E953.</p> <p>18. Zolotarenko A.D. FRA1</p>
--	--	--	--	--	--	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>mediates the activation of keratinocytes: Implications for the development of psoriatic plaques / A.D. Zolotareno, E.V. Chekalin, E.S. Piruzian, S.A. Bruskin // Biochim Biophys Acta Mol Basis Dis.- 2018.- № 1864(12).- С. 3726-3734.</p> <p>19. Chekalin, E.V. Changes in biological pathways during 6,000 years of civilization in Europe / E.V Chekalin, A. Rubanovich, T.V. Tatarinova, A. Kasianov et al. // Mol Biol Evol.- 2018.</p>	
2.	Галкин Алексей Петрович	Штатный	доктор биологических наук, доцент	<p>Выявление патологических и функциональных амилоидов у эукариот.</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>1. Галкин, А.П. Прионы и амилоиды – сходства и различия / А.П. Галкин, М.Е. Велижанина, Ю.В. Сопова, А.А. Шенфельд, и др. // Биохимия.- 2018.- Т. 83,№10.- С.1184-1195</p> <p>2. Сопова, Ю.В. Сближение прионных доменов способствует инициации прионизации белка / Ю.В. Сопова, С.П. Задорский, М.Е. Велижанина, А.В. Чиринская, и др. // Генетика.- 2018.- Т.54,№13.- С.10-13.</p> <p>3. Антонец, К.С. Протеомный анализ белковых фракций бактерии Escherichia coli, устойчивых к солибилизации ионными детергентами / К.С. Антонец, К.В. Волков, А.Л. Мальцева,</p>	<p>1. Sergeeva, A.V. Amyloid properties of the yeast cell wall protein Toh1 / A.V. Sergeeva, S.P. Zadorsky, J.V. Sopova, T.A. Ryzhova et al. // Prion.- 2019.- № 13(1).- С.21-32.</p> <p>2. Ryzhova, T.A. Screening for amyloid proteins in the yeast proteome / T.A. Ryzhova, J.V. Sopova, S.P. Zadorsky, V.A. Siniukova et al. // Curr Genet.- 2018.-; № 64(2).- С. 469-478.</p> <p>3. Nizhnikov, A.A. Interaction of prions causes heritable traits in Saccharomyces cerevisiae / A.A. Nizhnikov, T.A. Ryzhova, K.V. Volkov, S.P. Zadorsky et al. // PLoS Genet.- 2016.- № 12(12).- С. e1006504.</p>	<p>1. Analysis of amyloid properties of the STXBPI protein forming detergent-resistant aggregates in the brain of rat Rattus norvegicus. Proceedings of 6th International Conference on Brain Disorders and Therapeutics. Copenhagen, Denmark, 13-15 September 2018.</p> <p>2. Идентификация функциональных амилоидов в оогенезе. В кн.: Сборник тезисов 4-й ежегодной конференции Института Трансляционной Биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2018». Санкт-Петербург, 20-22</p>

					<p>Л.М. Аршакян, и др. // Биохимия.- 2016.- Т.81,№1. - с. 92 – 105.</p>		<p>июля 2018 г.</p> <p>3. Амилоиды регулируют жизненно-важные процессы у высших эукариот. В кн.: Сборник тезисов 4-й ежегодной конференции Института Трансляционной Биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2018». Санкт-Петербург, 20-22 июля 2018 г.</p> <p>4. Амилоидные свойства белка Munc18-1 крысы <i>Rattus norvegicus</i>. В кн.: Сборник тезисов 4-й ежегодной конференции Института Трансляционной Биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2018». Санкт-Петербург, 20-22 июля 2018 г.</p> <p>5. Analysis of amyloid properties of the NSF protein forming detergent-resistant aggregates in the brain of rat <i>Rattus norvegicus</i>, Prion 22-25 May 2018.</p> <p>6. Амилоидные конформеры белка MBP предохраняют аксоны. Сборник тезисов 4-й ежегодной конференции Института Трансляционной Биомедицины СПбГУ</p>
--	--	--	--	--	-------------------------------------------------------------------------	--	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>«Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2018», Санкт-Петербург, 20-22 июля 2018 г.</p> <p>7. Новые функциональные амилоиды дрожжей и мозга млекопитающих: свойства и особенности. 4-ая ежегодная конференция Института Трансляционной Биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2018», Санкт-Петербург, 20-22 июля 2018 г.</p> <p>8. The universal method of proteomic screening for amyloid proteins leads to the discovery of the novel functional amyloids of mammalian brain and <i>Saccharomyces cerevisiae</i> cell. Prion 2018 International Conference, 22-25 May, 2018.</p> <p>9. Analysis of amyloid properties of the Munc18-1 protein forming detergent-resistant aggregates in the brain of rat <i>Rattus norvegicus</i>. DGZ 2018 - International Meeting of the German Society for Cell Biology, Leipzig, Germany, 17-19 September, 2018.</p> <p>10. Белок Munc18-1 крысы <i>Rattus norvegicus</i> – новый</p>
--	--	--	--	--	--	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------



						<p>функциональный амилоид? Международная Пушинская школа-конференция молодых ученых «Биология – наука XXI века», Пущино, 23-27 апреля, 2018 г.</p> <p>11. Белок Fxr1 Rattus norvegicus –кандидат в функциональные амилоиды. // 21-я Международная Пушинская школа – конференция молодых ученых «Биология- наука XXI века», Пущино 17 - 21 апреля 2017 г.</p> <p>12. Анализ амилоидных свойств белков Toh1 и Ygr1 дрожжей Saccharomyces cerevisiae. // 21-я Международная Пушинская школа – конференция молодых ученых «Биология- наука XXI века», Пущино 17 - 21 апреля 2017 г.</p> <p>13. Fxr1- функциональный амилоид в мозге крысы Rattus norvegicus. // Третья ежегодная конференция Института трансляционной биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2017», Санкт-Петербург 15 - 16 июля 2017 г.</p> <p>14. Novel functional amyloids in yeast identified</p>
--	--	--	--	--	--	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>by proteomic approach. // Book of Abstracts of the 28th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology, Prague, Czech Republic, 27 August – 1 September 2017.</p> <p>15. Nizhnikov A.A., Ryzhova T.A., Galkin A.P. PSIA: a novel method for proteomic screenings of amyloid-forming proteins // IVth International Congress on Analytical Proteomics, Кошта де Капарика, Лиссабон, Португалия, 3-6 июля 2015 г.</p> <p>16. Proteomic Screenings for Novel Amyloid-Forming Proteins in Yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> // Yeast (Supplement Issue 1: Proceedings of 27th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology, Levico Terme, Italy), 6-12 September 2015.</p> <p>17. Proteomic screening for novel amyloid-forming proteins in bacteria <i>Escherichia coli</i> // IVth International Congress on Analytical Proteomics Кошта де Капарика, Лиссабон, Португалия, 3-6 июля 2015 г.</p> <p>18. Prion properties of the Alzheimer's disease associated</p>
--	--	--	--	--	--	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

							<p>proteins in the yeast model. Prion 2015. Fort Collins, Colorado, USA, May 26-29, 2015.</p> <p>19. Interaction of PrP polymers and amyloid beta peptide in a yeast-based model (ID: EMBO15-405). The EMBO Meeting. Birmingham 5-8 September 2015.</p>
3.	Даниленко Валерий Николаевич	Штатный	Доктор биологических наук, профессор	<p>Микробиом (микробиота) российского человека: функционирование в экстремальных условиях, гены коммуникации и адаптации с организмом хозяина. Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>1. Алексеева, М.Г. Биохимическая и структурная характеристика F0F1-АТФ-синтазы <i>Streptomyces fradiae</i> ATCC 19609. / Алексеева, М.Г., Мирончева Т.А., Мавлетова Д.А., Елизаров С.М., и др. // Биохимия.- 2015.- №3.- С. 358-373</p> <p>2. Алексеева, М.Г. Выделение и очистка рекомбинантных белков серин-треониновых протеинкиназ штамма <i>Bifidobacterium longum</i> V379M и изучение их активности / М.Г. Алексеева, Д.А. Мавлетова, Н.В. Колчина, В.З. Незаметдинова и др. // БИОХИМИЯ.- 2015.- том 80(10). - с. 1579 – 1588.</p> <p>3. Ватлин, А.А. Секвенирование и анализ резистоста <i>Streptomyces fradiae</i> ATCC19609 с целью разработки тест-системы для скрининга новых антибактериальных веществ / Ватлин, А.А., Беккер</p>	<p>1. Bekker, O.B. Synthesis and activity of (+)- and (-)-usnic acid derivatives containing 1,3-thiazole cycle against <i>Mycobacterium tuberculosis</i> / O.B. Bekker, D.N. Sokolov, O.A. Luzina, N.I. Komarova, et al. // Medicinal Chemistry Research.- 2015.- V.24(7).- pp. 2926-2938</p> <p>2. Krügel, H. Expression of the toxin –antitoxin genes <i>yefMLrh</i>, <i>yoeBLrh</i> in human <i>Lactobacillus rhamnosus</i> isolates / H. Krügel, K. Klimina, G. Mrotzek, A. Tretyakov, et al. // J.Basic Microbiology. - 2015.- V.54(8).- pp. 982-91.</p> <p>3. Shur, K.V. Draft Genome Sequence of <i>Mycobacterium tuberculosis</i> Strain E186hv of Beijing B0/W Lineage with Reduced Virulence / K.V. Shur, K.M. Klimina, N.V. Zakharevich, D.A. Maslov et</p>	<p>1. <i>Mycobacterium tuberculosis</i> type II toxin-antitoxin systems: genetic diversity and genotyping tools. The 2015 TB SUMMIT European Scientific Conferences, United Kingdom, London, 23-26 March 2015.</p> <p>2. Resistance to pyrazinamide in Russian <i>Mycobacterium tuberculosis</i> isolates. The 2015 TB SUMMIT European Scientific Conferences, United Kingdom, London, 23-26 March 2015.</p> <p>3. <i>M. smegmatis</i> APHVIII+ test-system for primary screening of mycobacterial serine/threonine protein kinase(s) inhibitors. The 2015 TB SUMMIT European Scientific Conferences, United Kingdom, London, 23-26 March 2015.</p>

				<p>О.Б., Лысенкова А.М., Королев А.М., и др. // Генетика.- 2016.- Т.52, № 6.- стр. 723-727.</p> <p>4. Маслов, Д.А. Ингибиторы серин-треониновых протеинкиназ классов аминопиридинов и аминопиримидинов - кандидаты в препараты для лечения лекарственно-устойчивых форм туберкулеза / Д.А. Маслов, О.Б. Беккер, М.Г. Алексеева, Л.М. Князева, и др. // Вестник РГМУ.- 2017.- №1.- с.42-47.</p> <p>5. Шур, К.В., Генотипирование клинических изолятов <i>Mycobacterium tuberculosis</i>, выделенных в московском регионе, методом MIRU-VNTR / К.В. Шур, Д.А. Маслов, О.Б. Беккер, В.Н. Даниленко // Вестник РГМУ.- 2017.- №1.- с.48-51.</p> <p>6. Ковтун, А.С. Идентификация аминокликозидфотрансфераз клинических штаммов бактерий в микробиоте жителей России / А.С. Ковтун, М.Г. Алексеева, О.В. Аверина, В.Н. Даниленко // Вестник РГМУ.- 2017.- №2.- с.14-19.</p> <p>7. Захаревич, Н.В. Серин-треониновые протеинкиназы бактерий- потенциальная мишень для регуляции состава микробиоты человека / Н.В.</p>	<p>al. // Genome Announcements.- 2015.- V.3 (3).- e00403-15.</p> <p>4. Zakharevich, N.V. Complete Genome Sequence of <i>Bifidobacterium longum</i> GT15: Identification and Characterization of Unique and Global Regulatory Genes / Zakharevich N.V., Averina O.V., Klimina K.M., Kudryavtseva A.V., et al. // <i>Microbial Ecology</i>.- 2015.- V.70(3).- pp. 819-34</p> <p>5. Maslov, D.A. Draft genome sequence of a two PZA-resistant isolates of <i>Mycobacterium tuberculosis</i> 13-2459 and 13-4152. / D.A. Maslov, K.V. Shur, O.B. Bekker, N.V. Zakharevich et al.// <i>Genome Announcements</i>.- 2015.- V3 (4).- e00758-15.</p> <p>6. Averina, O. Functional analysis of the type II toxin-antitoxin systems of the MazEF and RelBE families in <i>Bifidobacterium longum</i> subsp. <i>infantis</i> ATCC 15697 / O. Averina, M. Alekseeva, A. Shkoporov, V. Danilenko // <i>Anaerobe</i>.- 2015.- V.35, Part B.- pp.59-67 .</p> <p>7. Dyachkova, M.S. Draft Genome Sequences of <i>Bifidobacterium angulatum</i> GT 102 and <i>Bifidobacterium adolescentis</i> 150: focusing on the genes potentially involved</p>	<p>4. Modeling WHIB7-dependent system of intrinsic drug resistance of <i>Mycobacterium tuberculosis</i> on the model object - <i>Mycobacterium smegmatis</i>. The 2015 TB SUMMIT European Scientific Conferences, United Kingdom, London, 23-26 March 2015.</p> <p>5. Type II toxin-antitoxin systems as a functional marker for identification of <i>Bifidobacterium</i> and <i>Lactobacillus</i> strains suitable for metagenomic studies. 5th International Human Microbiome Congress, Luxembourg, 31 March to 2 April, 2015.</p> <p>6. Analysis of the genome of <i>Bifidobacterium longum</i> GT15: focus on the unique genes and genes potentially involved in the microbiota-gut-brain communication. 5th International Human Microbiome Congress, Luxembourg, 31 March to 2 April, 2015.</p> <p>7. Functional analysis of type II toxin-antitoxin systems of the MazEF, RelBE, VapBC families of <i>Bifidobacterium longum</i> subsp. <i>infantis</i> ATCC 15697 strain. 5th International Human Microbiome</p>
--	--	--	--	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

				<p>Захаревич, В.Н. Даниленко // Вестник РГМУ.- 2017.- №2.- с.20-29.</p> <p>8. Климина, К.М. Бактериальные системы токсин-антитоксин: свойства, функциональное значение, возможности использования / К.М. Климина, Е.У. Полуэктова, В.Н. Даниленко // Прикладная биохимия и микробиология.- 2017.- том 53, №5.- с.449-461.</p> <p>9. Беккер, О.Б. Полногеномное секвенирование и анализ мутаций штамма <i>Streptomyces fradiae</i> ATCC 19609-Olg4R, устойчивого к (33S)-33-дезоксиде-33-тиоцианатоолигомицину А / О.Б. Беккер, А.А. Ватлин, Л.Н. Лысенкова, А.Е. Щекотихин, и др. // Генетика.- 2017.- Том 53, Выпуск 9.- с.1048-1051.</p> <p>10. Алексеева, М.Г. Новый ген аминокликозидфосфотрансферазы aph(3"-Id из <i>Streptomyces rimosus</i> ATCC10970, кодирующий устойчивость к стрептомицину / М.Г. Алексеева, Н.Н. Рудакова, Н.В. Захаревич, Д.А. Мавлетова, и др. // Генетика.- 2018.- 54(10). - с.1228-1232.</p> <p>11. Даниленко, В.Н. <i>Mycobacterium tuberculosis</i>: проблемы лекарственной</p>	<p>in the gut-brain axis / Dyachkova M.S., Klimina K.M., Kovtun A.S., Zakharevich N.V., et al. // Genome Announcements.- 2015.- 3(4).- e00709-15.</p> <p>8. Zaichikova, M.V. <i>Mycobacterium tuberculosis</i> type II toxin-antitoxin systems: a genetic polymorphism, functional properties and the possibility of using for genotyping / M.V. Zaichikova, N.V. Zakharevich, M.O. Sagaydak, N.A. Bogolyubova // PLoS One.- 2015.- e0143682.- pp.1-15</p> <p>9. Krasnov, V.P. Synthesis and antimycobacterial activity of N-(2-aminopurin-6-yl) and N-(purin-6-yl) amino acids and dipeptides / V.P. Krasnov, AY Vigorov, VV Musiyak, IA Nizova // Bioorg Med Chem Lett.- 2016.- 26(11).- pp.2645-2648.</p> <p>10. Boyko K.M. Structural characterization of the novel aminoglycoside phosphotransferase AphVIII from <i>Streptomyces rimosus</i> with enzymatic activity modulated by phosphorylation / KM Boyko, MA Gorbacheva, DA Korzhenevskiy, MG Alekseeva, et al. // Biochemical and Biophysical Research Communications (BBRC).-</p>	<p>Congress, Luxembourg, 31 March to 2 April, 2015.</p> <p>8. The comparative genomic analysis of <i>Lactobacillus rhamnosus</i> strains, isolated from human gut, saliva and vagina. 5th International Human Microbiome Congress, Luxembourg, 31 March to 2 April, 2015.</p> <p>9. Микробиота в экстремальных условиях Арктики: диагностика и лечение депрессивного состояния военнослужащих. Международный военно-технический форум «АРМИЯ-2015» круглый стол «Медицинское обеспечение ВС РФ в условиях Арктики», Московская область, г. Кубинка, 16-19 июня 2016 г.</p> <p>10. The Preclinical Testing of Drug Formulation Based on <i>Bifidobacterium longum</i>, <i>Lactobacillus rhamnosus</i> and <i>Enterococcus faecium</i> Strains for Treatment of Inflammatory Bowel Disease. International Scientific Conference on Probiotics and Prebiotics, Budapest, 23rd – 25th June 2015.</p> <p>11. Development of new methods for screening and selection of probiotic <i>Lactobacillus</i> strains with</p>
--	--	--	--	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

				<p>устойчивости, вирулентности и подходы к их решению / В.Н. Даниленко, М.В. Зайчикова, И.Н. Дьяков, К.В. Шур, и др. // Вестник РГМУ.- 2018.- 7(3).- с.5-12.</p> <p>12. Ковтун, А.С. In silico определение метагеномной сигнатуры, отражающей нейрометаболический потенциал микробиоты кишечника человека в норме / А.С. Ковтун, О.В. Аверина, Н.В. Захаревич, А.С. Касьянов, и др. // Генетика.- 2018.- 54(9).- с. 1081-1091</p> <p>13. Маслов, Д.А. Полногеномное секвенирование и сравнительный геномный анализ мутантов Mycobacterium smegmatis, устойчивых к соединениям класса замещенных имидазо[1,2-b][1,2,4,5]тетразинов – кандидатов в противотуберкулезные препараты / Маслов, Д.А., Беккер О.Б., Шур К.В., Ватлин А.А., и др. // Вестник РГМУ.- 2018.- 3.- с.20-24.</p> <p>14. Шур, К.В. Создание выборки клинических изолятов Mycobacterium tuberculosis линии Beijing-b0 и определение предикторов иммунной дисфункции пациентов-источников / Шур, К.В., Умпелева Т.В., Беккер О.Б.,</p>	<p>2016.- 477(4).- pp.595-601.</p> <p>11. Shur K.V. Draft Genome Sequence of Mycobacterium tuberculosis Strain B9741 of Beijing B0/W lineage from HIV positive patient from Siberia / KV Shur, MV Zaychikova, NE Mikhecheva, KM Klimina, et al. // Genom Data.- 2016.- 10.- pp.61-62.</p> <p>12. Yunes, R.A. GABA production and structure of gadB/gadC genes in Lactobacillus and Bifidobacterium strains from human microbiota / R.A. Yunes, E.U. Poluektova, M.S. Dyachkova, K.M. Klimina, et al. // Anaerobes.- 2016.- №42.- pp.1-8.</p> <p>13. Mikhecheva, N.E. A nonsynonymous SNP catalog of Mycobacterium tuberculosis virulence genes and its use for detecting new potentially virulent sublineages / N.E. Mikhecheva, M.V. Zaychikova, A.V. Melerzanov, V.N. Danilenko // Genome Biology and Evolution.- 2017.- v.9(4).- pp.887-899</p> <p>14. Vatlin AA. A functional study of the global transcriptional regulator PadR from a strain Streptomyces fradiae-nitR+bld, resistant to nitroone-oligomycin / AA Vatlin, OB Bekker, LN</p>	<p>antioxidant properties. International Scientific Conference on Probiotics and Prebiotics, Budapest, 23rd – 25th June 2015.</p> <p>12. Gamma-aminobutyric acid producing Lactobacillus and Bifidobacterium strains isolated from the human body - candidates for future psychobiotics. International Scientific Conference on Probiotics and Prebiotics Budapest, 23rd – 25th June 2015.</p> <p>13. Mycobacterium tuberculosis “hybrid warfare”: virulence, pathogenicity, persistence and drug resistance. New counteraction concept. MedChem 2015, 2nd Russian Conference on Medicinal Chemistry, Novosibirsk, Russia, 5-10 July 2015.</p> <p>14. Системы токсин-антитоксин II типа семейств MAZEF и RELBE ц бифидобактерий кишечной микробиоты человека. Международный Симпозиум «Микроорганизмы и биосфера» Microbios-2015, Ташкент, Узбекистан, 25-27 ноября, 2015 г.</p> <p>15. Микробная эндокринология и ось</p>
--	--	--	--	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

				<p>Маслов Д.А., и др. // Вестник РГМУ. - 2018.- 7(3).- с.24-30.</p> <p>15. Шур, К.В. Генетические аспекты лекарственной устойчивости и вирулентности <i>Mycobacterium tuberculosis</i>. / К.В. Шур, О.Б. Беккер, М.В. Зайчикова, Д.А. Маслов // Генетика.- 2018. - том 54, № 12.- с. 1363–1375.</p>	<p>Lysenkova, AE Shchekotikhin, et al. // <i>Journal of Basic Microbiology</i>. - 2018.- 58(9).- pp.739-746.</p> <p>15. Chervinets, Y. Adaptation and Probiotic Potential of Lactobacilli, Isolated from the Oral Cavity and Intestines of Healthy People / Y. Chervinets, V. Chervinets, B. Shenderov, E. Belyaeva, et al. // <i>Probiotics and Antimicrobial Proteins</i>.- 2018.- V.10, Issue 1. - pp.22-33.</p> <p>16. Nezametdinova, V.Z. Species-specific serine-threonine protein kinase Pkb2 of <i>Bifidobacterium longum</i> subsp. longum: Genetic environment and substrate specificity / V.Z. Nezametdinova, D.A. Mavletova, M.G. Alekseeva, M.S. Chekalina // <i>Anaerobe</i>.- 2018.- 51.- pp.26-35.</p> <p>17. Liu, J. Mutations in efflux pump Rv1258c (Tap) cause resistance to pyrazinamide, isoniazid and streptomycin in <i>M. tuberculosis</i> / J. Liu, W. Shi, S. Zhang, X. Hao, et al. // <i>Frontiers in Microbiology</i>.- 2019.- V.10.- P.1</p> <p>18. Fetissov, S.O. Neuropeptides in the microbiota-brain axis and feeding behavior in autism spectrum disorder / S.O.</p>	<p>микробиота-желудок-мозг III Международной научной конференции «Генетика и биотехнология XXI века: проблемы, достижения, перспективы», посвящённой 115-летию со дня рождения академика А.Р.Жебрака и XI съезде Белорусского общества генетиков и селекционеров, Минск, Беларусь, 23 ноября 2016 г.</p> <p>16. Роль функционирования оси кишечник – мозг в формировании и поддержании гомеостаза организма и когнитивных свойств человека. X Международная научная конференция Микробные биотехнологии: фундаментальные и прикладные аспекты, Минск, 5–9 июня 2017 г.</p> <p>17. Микробиота, диабет 2-го типа, создание психобиотиков для коррекции нейродепрессивных последствий заболевания. X Международная научная конференция Микробные биотехнологии: фундаментальные и прикладные аспекты, Минск, 5–9 июня 2017 г.</p> <p>18. The study of distribution</p>
--	--	--	--	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

					<p>Fetissov, O.V Averina., V.N. Danilenko // Nutrition.- 2019.- V.61.- pp. 43-48</p> <p>19. Klimina, KM. Employing toxin-antitoxin genome markers for identification of Bifidobacterium and Lactobacillus strains in human metagenomes / KM Klimina, AS Kasianov, EU Poluektova, KV Emelyanov, VN Voroshilova, et al.// PeerJ.- 2019. - 7. - e6554</p> <p>20. Klimina, KM. The effects of desynchronization on the gut microbiota composition and physiological parameters of rats / KM Klimina, EG Batotsyrenova, RA Yunes, EH Gilyaeva, et al.//BMC Microbiol. - 2019. - 19(1).- P.160.</p>	<p>and functions of aminoglycoside phosphotransferases from soil microorganisms of the genus Streptomyces. 2nd International Caparica Conference in Antibiotic Resistance. Caparica – Portugal, 12 – 15 June 2017.</p> <p>19. Функции оси кишечник-мозг в формировании и поддержании гомеостаза организма и когнитивных свойств человека. International multiconference Biotechnology for the future medicine, Новосибирск 23-28 июля 2017 г.</p> <p>20. In silico characterization of functional signatures for neurotransmitter synthesis in intestinal microbiota of healthy human./ Симпозиум Priming for health: The relevance of the brain-gut communication IUPS-2017 Congress, Brazil,Rio de Janeiro, 1-5 августа 2017 г.</p> <p>21. The interplay between the intestinal microbiota and the brain. / Симпозиум Priming for health: The relevance of the brain-gut communication IUPS-2017 Congress, Brazil,Rio de Janeiro, 1-5 августа 2017 г.</p> <p>22. Микробиом</p>
--	--	--	--	--	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------



						<p>желудочно-кишечного тракта детей и аутизм. Международный форум Биотехнология: состояние и перспективы развития. Науки о жизни, Москва, 23-25 мая 2018 г.</p> <p>23. Антиоксидантный потенциал микробиоты человека в норме и патологии. Международный форум Биотехнология: состояние и перспективы развития. Науки о жизни, Москва, 23-25 мая 2018 г.</p> <p>24. Системы токсин-антитоксин II типа как функциональный маркер для изучения бактериального состава микробиоты кишечника. Международный форум Биотехнология: состояние и перспективы развития. Науки о жизни, Москва, 23-25 мая 2018 г.</p> <p>25. Metagenomic signature of neuromodulatory compounds in human's gut microbiota. 7th International Human Microbiome Consortium Meeting. Killarney, Ireland, 26-28 June, 2018.</p> <p>26. Study and use of the antioxidant potential of lactobacilli, inhabitants of the human microbiota. 7th</p>
--	--	--	--	--	--	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>International Human Microbiome Consortium Meeting. Killarney, Ireland, 26-28 June, 2018.</p> <p>27. Нейромодулирующий, иммуномодулирующий и антиоксидативный потенциал микробиом ЖКТ человека» Мультиконференция с международным участием «Биотехнология – медицине будущего», Новосибирск, 29 июня – 2 июля 2019 г.</p> <p>28. Микробиота и депрессия. Поиск психобиотиков для коррекции депрессивных состояний. Мультиконференция с международным участием «Биотехнология – медицине будущего», Новосибирск, 29 июня – 2 июля 2019 г.</p> <p>29. Антиоксидантная активность лактобацилл микробиоты ЖКТ человека в профилактике нейродегенеративных заболеваний. Мультиконференция с международным участием «Биотехнология – медицине будущего», Новосибирск, 29 июня – 2 июля 2019 г.</p> <p>30. Определение метагеномной сигнатуры микробиоты кишечника</p>
--	--	--	--	--	--	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

							детей с расстройством аутистического спектра. Мультиконференция с международным участием «Биотехнология – медицине будущего», Новосибирск, 29 июня – 2 июля 2019 г.
4.	Инге-Вечтомов Сергей Георгиевич	Штатный	доктор биологических наук, профессор	Исследование соотношения неоднозначности репликации, репарации и изменчивости генетического материала на модели альфа-теста у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i>  Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018	1. Сопова, Ю.В. Сближение прионных доменов способствует инициации прионизации белка / Ю.В. Сопова, С.П. Задорский, М.Е. Велижанина, А.В. Чиринскайте, и др. // Генетика. - 2018. - Т.54, №13. - С.10-13. 2. Жук, А.С. Идентификация мутации <i>kar1-1</i> , приводящей к повышению частоты цитодукции и снижению частоты гибридизации у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / А.С. Жук, С.П. Задорский, А.А. Ширяева, О.В. Коченова, и др. // Генетика. 2018. Т. 54, с. S18–S21.	1. Spangenberg, V. Extraordinary centromeres: differences in the meiotic chromosomes of two rock lizards species <i>Darevskia portschinskii</i> and <i>Darevskia raddei</i> / V Spangenberg, M Arakelyan, E Galoyan, M Pankin, et al. // PeerJ.- 2019.- 7.- e6360 2. Matveevsky, S. Reorganization of the Y Chromosomes Enhances Divergence in Israeli Mole Rats <i>Nannospalax ehrenbergi</i> (Spalacidae, Rodentia): Comparative Analysis of Meiotic and Mitotic Chromosomes / S Matveevsky, E Ivanitskaya, V Spangenberg, I Bakloushinskaya, et al. // Genes (Basel).- 2018.- 9(6).- pii: E272. 3. Matveevsky, S.N. The dual mechanisms of chromatin remodeling in the common shrew sex trivalent (XY 1 Y 2) / S.N. Matveevsky, S.V. Pavlova, M.M. Atsaeva, Searle, et al.// Comp. Cytogenet.- 2017.- №11(4).- pii: 727	1. Изучение природы "незаконных" гибридов, лишенных хромосомы III и регистрируемых в альфа-тесте для дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> . Международная конференция Хромосома, Новосибирск, 20-24 августа 2018 г. 2. Improvement of a test-system for detecting inherited and non-inherited genetic changes in living cells. Bioinformatics of Genome Regulation and Structure\Systems Biology (BGRS\SB-2018): The Eleventh International Conference, Novosibirsk, 20–25 Aug. 2018. 3. Phenotypic expression of the primary DNA lesions through the cell cycle in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> . 28th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology. Prague, Czech Republic, Aug. 27 – Sep. 1, 2017. 4. Alpha-test in yeast

							<p>Saccharomyces cerevisiae as a system for the study of genetic material variability. Belyaev Conference, Novosibirsk, 7-10 August 2017.</p> <p>5. Жук А.С., Андрейчук Ю.В., Степченкова Е.И., Инге-Вечтомов С.Г. (2016). Экспериментальный подход к определению соотношения наследственных и врожденных аномалий при действии различных агентов на модели дрожжей Saccharomyces cerevisiae. Биология и фундаментальная медицина в Санкт-Петербурге. Материалы совещания Объединенного научного совета СПбНЦ РАН. 14-15 апреля 2016. СПб.</p> <p>6. Fraction of hypermutable cells in microbial populations. International Scientific Conference commemorating the 80th birthday of Academician Yury P. Altukhov (1936–2006), Moscow, 17–21 April 2017.</p>
5.	Коломиец Оксана Леонидовна	Штатный	Доктор биологических наук, профессор	Цитогенетические и эпигенетические механизмы мейоза, их роль в нормальном сперматогенезе и	1. Брагина, Е.Е. Мейоз, сперматогенез и ультра-структура базальной мембраны семенных канальцев у пациентов с азооспермией / Е.Е. Брагина, И.И. Витязева, М.А.	1. Sergeeva, A.V. Amyloid properties of the yeast cell wall protein Toh1 / A.V. Sergeeva, S.P. Zadorsky, J.V. Sopova, T.A. Ryzhova et al. // Prion (на рецензии).	1. Meiosis in weird mole voles Ellobius, Rodentia) lacking a Y chromosome. Escorial. Spanish Meiosis Meeting El Escorial, Madrid 19-21 June 2019.

				<p>формировании мейотической стерильности</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>Лелекова, А.А. Кашинцова, и др. // Андрология и генитальная хирургия.- 2019.- т. 20, №1.- с. 43-53</p> <p>2. Коломиец, О.Л. Выявление нарушений мейоза и сперматогенеза методами световой, электронной и флуоресцентной микроскопии / О.Л. Коломиец, М.А. Лелекова, А.А. Кашинцова, Л.Ф. Курило, и др. // Андрология и генитальная хирургия.- 2018.- т.19, №1.- с.24-35.</p> <p>3. Брагина, Е.Е. Нарушение конденсации хроматина сперматозоидов и фрагментация ДНК сперматозоидов – есть ли корреляция? / Е.Е. Брагина, Е.А. Арифудин, Е.М. Лазарева, М.А. Лелекова, и др. // Андрология и генитальная хирургия.- 2017.- Т.48.- №1.</p> <p>4. Ловинская, А.В. Генотоксическое действие нитрозодиметиламина на соматические и генеративные клетки мышей / А.В. Ловинская, С.Ж. Колумбаева, О.Л. Коломиец, С.К. Абилов // Экологическая генетика.- 2017.- Т.15, № 3.- С.34–41.</p> <p>5. Ловинская, А.В. Иммуноцитохимический анализ нарушений структуры синаптонемных комплексов в ядрах сперматоцитов мыши при</p>	<p>2. Malovichko, Y.V. RNA Sequencing Reveals Specific Transcriptomic Signatures Distinguishing Effects of the [SWI+] Prion and SWI1 Deletion in Yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / Y.V. Malovichko, K.S. Antonets, A.R. Maslova, E.A. Andreeva // Genes.- 2019.- № 10(3).- С. 212.</p> <p>3. Zhuk, A.S. Evaluation of methods of synchronization of cell division in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / Zhuk A.S. , Stepchenkova E.I. , Y.I. Pavlov, S.G. Inge-Vechtomov // Cell and Tissue Biology.- 2017.- № 11(2).- С. 111-122.</p>	<p>2. Клетки Сертоли. Ответ на арест мейоза I. Международный Конгресс "VII Съезд ВОГиС", г Санкт-Петербург, 18-22 июня 2019 г.</p> <p>3. Complex study of spermatogenesis abnormalities in infertile men with AZF deletions. 20 European testis workshop on the molecular and cellular endocrinology of the testis. Portugal, Óbidos. 23-27 мая 2018.</p> <p>4. Total disturbance in chromosome synapsis and DSB repair do not arrest meiosis in triploid hybrid males of rock lizards/22 International Chromosomal Conference. Prague, Czech Republic, 2-5 September, 2018.</p> <p>5. Behavior of sex chromosomes during meiosis in the mole vole (<i>Ellobius tancrei</i>) with an XX sex determination system in both males and females. PS-P-1498. 22 International Chromosomal Conference. Prague, Czech Republic, 2-5 September 2018.</p> <p>6. Altered Y chromosomes in two chromosomal forms of blind mole rats <i>Nannospalax</i></p>
--	--	--	--	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

					<p>воздействии компонента ракетного топлива / А.В. Ловинская, С.Ж. Колумбаева, С.К. Абилов, О.Л. Коломиец // Гигиена и санитария.- 2016.- 95(3).- С. 293–296.</p> <p>6. Ловинская, А.В. Генотоксическое действие пестицида фипронила на соматические и генеративные клетки мышей / А.В. Ловинская, С.Ж. Колумбаева, О.Л. Коломиец, С.К. Абилов // Генетика. 2016. Т. 52, № 5. С. 561–568.</p> <p>7. Гуреева, А.В. Дифференциация видов эверсма-новых хомячков (<i>Allocricetulus</i>, <i>Cricetinae</i>): экспериментальная гибридизация / А.В. Гуреева, Н.Ю. Феоктистова, С.Н. Матвеевский, О.Л. Коломиец, и др. // Зоологический журнал.- 2015.- Т.94, № 5.- С.614 -620.</p>		<p>ehrenbergi (Rodentia, Mammals) from Israel. PS-P-160. ICC 2018 - Abstract book. 22-nd International chromosomal conference. Prague, Czech Republic, 2-5 September 2018.</p> <p>7. Аномалии мейоза и сперматогенеза при генных и хромосомных нарушениях. Третья Всеросс. Научно-практическая конф. 2018. Новые технологии диагностики наследственных болезней. Москва, 26 октября 2018 г.</p> <p>8. Новые данные о хромосомных механизмах сетчатого видообразования у скальных ящериц р. <i>Darevskia</i>. III международная конференция «Современные проблемы биологической эволюции», Москва, 16-20 октября 2017 г.</p> <p>9. Новые подходы к исследованию мейоза у пациентов с нарушениями спермато-генеза. Всеросс. конф. с междунар. участием «50 лет ВОГиС: успехи и перспективы», Москва, 8 - 10 ноября 2016 г.</p>
6.	Макеев Всеволод	Штатный	Доктор физико-	Вычислительный анализ данных,	1. Воронцов, И.Е. Анализ экспериментальных данных для	1. Uroshlev, L.A. Role of structural water for prediction	1. Adaptation to high latitudes and its influence on genetic

	Юрьевич		<p>математических наук, Член-корреспондент РАН</p>	<p>полученных с помощью установок секвенирования нового поколения, для определения структурных вариаций в геномах и функциональных последствий этих вариаций</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>определения участков днк, связывающих регуляторные белки / И.Е. Воронцов, И.В. Кулаковский, Ю.А. Медведева, Ф.А. Колпаков и др. // Биотехнология.- 2018.- № S.- С. 14-15.</p> <p>2. Петров, С.Н. Эффективный алгоритм картирования прочтений на геномный граф с использованием индекса, основанного на хэш-таблицах, и динамического программирования / С.Н. Петров, Л.А. Урошлев, А.С. Касьянов, В.Ю. Макеев // Биофизика.- 2018.- № 3, Т. 63.- С. 421-429.</p> <p>3. Быкадоров, П.А. Локусы, влияющие на экспрессию антигенов HLA в участке 14-й хромосомы, ассоциированном с развитием рассеянного склероза, и функции расположенных в них генов / П.А. Быкадоров, Н.Ю. Опарина, М.В. Фридман, В.Ю. Макеев // Генетика.- 2017.- № 9, Т. 53.- С. 1035-1041.</p> <p>4. Лифанов, А.П. Консервативные участки регуляторных модулей ранних генов дрозофилы, включающие гомотипические сайты связывания факторов транскрипции, расположены с периодом 84 нуклеотида, соответствующим длине витка</p>	<p>of cation binding sites in apoproteins / L.A. Uroshlev, I.V. Kulakovskiy, N.G. Esipova, V.G. Tumanyan et al. // Journal of Biomolecular Structure and Dynamics.- 2018.- № 1, Т. 36.- С. 221-232.</p> <p>2. Vorontsov, I.E. Genome-wide map of human and mouse transcription factor binding sites aggregated from chip-seq data / I.E. Vorontsov, A.D. Fedorova, I.S. Yevshin, R.N. Sharipov et al. // BMC Research Notes. - 2018.- № 1, Т. 11.- С. 756.</p> <p>3. Orekhov, A.N. Hdl activates expression of genes stimulating cholesterol efflux in human monocyte-derived macrophages / A.N. Orekhov, T. Pushkarsky, Yu. Oishi, N.G. Nikiforov et al. // Experimental and Molecular Pathology.- 2018.- № 2, Т. 105.- С. 202-207.</p> <p>4. De Rie, D. An integrated expression atlas of mirnas and their promoters in human and mouse / D. De Rie, I. Abugessaisa, E. Arner, N. Bertin, et al. // Nature Biotechnology. 2017.- № 9, Т. 35.- С. 872-878.</p> <p>5. Forrest, A.R. A promoter level mammalian expression atlas / A.R. Forrest, H. Kawaji, M. Rehli, J.K. Baillie, et al. //</p>	<p>predisposition to multiple sclerosis В книге: Molecular Phylogenetics. Contributions to the 5th Moscow International Conference "Molecular Phylogenetics and Biodiversity Biobanking". Eds. A. Troitsky and L. Rusin. 25-28 August 2018.</p> <p>2. Варианты в регуляторных областях генов влияющие на связывание белков, регулирующих транскрипцию. Биотехнология: состояние и перспективы развития. материалы IX международного конгресса. 20-22 февраля 2017 г.</p> <p>3. Подходы к изучению генетики рассеянного склероза: интеграция данных по GWAS, EQTL и популяционным частотам SNP. Биотехнология: состояние и перспективы развития. материалы IX международного конгресса. 20-22 февраля 2017 г.</p> <p>4. Iqng1-iqng3 locus, its possible role in the multiple sclerosis, and biases snp allele frequencies for europeoid and non-europeoid populations. 8-я Московская конференция по вычислительной молекулярной биологии (MCCMB 2017), Москва, 27-</p>
--	---------	--	--------------------------------------------------------	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

					<p>суперспирали днк нуклеосомы / А.П. Лифанов, В.Ю. Макеев, Н.Г. Есипова // Биофизика.- 2016.- № 1, Т. 61.- С. 50-53.</p> <p>5. Кулаковский, И.В. Полиморфизмы и соматические мутации в регуляторных сегментах ДНК и тканеспецифическая экспрессия генов / И.В. Кулаковский, И.Е. Воронцов, А.С. Ландо, В.Ю. Макеев // Acta Naturae (русскоязычная версия).- 2016.- № S2.- С. 116.</p> <p>6. Лиознова, А.В., Интеграция систем геномной регуляции / А.В. Лиознова, А.М. Камиз, И.В. Кулаковский, И.Е. Воронцов и др. // Acta Naturae (русскоязычная версия).- 2016.- № S2.- С. 117-118.</p> <p>7. Лифанов, А.П. "Синфазные блоки" - консервативные участки двойной спирали ДНК модулей регуляции транскрипции - сближены в пространстве вследствие сфазированности относительно витка суперспирали ДНК нуклеосомы / А.П. Лифанов, В.Ю. Макеев, Н.Г. Есипова // Биофизика.- 2015.- № 1, Т. 60.- С. 15-17.</p>	<p>Nature.- 2014.- № 507(7493).- С. 462-70.</p>	<p>30 Июля 2017 г.</p>
7.	Рогаев Евгений Иванович	Штатный	доктор биологических наук, профессор	Применение масштабного параллельного секвенирования для	<p>1. Bryzgalov, D. V. Enhancement of Declarative Memory: From Genetic Regulation to Non-invasive Stimulation / D. V. Bryzgalov, I.</p>	<p>1.Ponomareva, N.V. Quantitative EEG during normal aging: association with the Alzheimer's disease genetic risk variant in PICALM gene /</p>	<p>1. Состояние и перспективы применения метода массивного параллельного секвенирования для решения задач</p>



			<p>медицинских и эволюционных исследований</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>L. Kuznetsova, E. I. Rogaev // Biochemistry (Moscow). – 2018. – V. 83. – № 9. – pp. 1124-1138.</p> <p>2. Ponomareva, N. V. Genetic Association between Alzheimer's Disease Risk Variant of the PICALM Gene and Auditory Event-Related Potentials in Aging / N. V. Ponomareva, T. V. Andreeva, M. A. Protasova, Yu. V. Filippova et al. // Biochemistry (Moscow). – 2018. – V. 83. – № 9. – pp. 1075-1082.</p> <p>3. Aliseychik, M. P. Immunogenetic Factors of Neurodegenerative Diseases: The Role of HLA Class II / M. P. Aliseychik, T. V. Andreeva, E. I. Rogaev // Biochemistry (Moscow). – 2018. – V. 83. – № 9. – pp. 1104-1116.</p> <p>4. Rogaev, E. I. Different Pathways to Neurodegeneration / E. I. Rogaev// Biochemistry (Moscow). – 2018. – V. 83. – № 9. – pp. 1269-1271.</p>	<p>N.V. Ponomareva, T.V. Andreeva, M.S. Protasova, L.I. Shagam et al. // Neurobiol Aging. – 2017. – №51. – P. 177.e1-177.e8.</p> <p>2. Babenko, V.N. Haplotype analysis of APOE intragenic SNPs / V. N. Babenko, D. A. Afonnikov, E. V. Ignatieva, A.V. Klimov et al. // BMC Neurosci. – 2018. – № 19,(Suppl 1). – P. 16.</p> <p>3. Pilsner, J. R. Peripubertal serum dioxin concentrations and subsequent sperm methylome profiles of young Russian adults / J. R. Pilsner, A. Shershebnov, Y. A. Medvedeva, A. Suvorov //ReprodToxicol. – 2018. – № 78. – P. 40-49.</p> <p>4. Saik, O.V. Novel candidate genes important for asthma and hypertension comorbidity revealed from associative gene networks / O. V. Saik, P. S. Demenkov, T. V. Ivanisenko, E. Y. Bragina et al. // BMC Med Genomics. – 2018. – V. 11, (Suppl 1). – P.15.</p> <p>5. Bondar, N. Molecular Adaptations to Social Defeat Stress and Induced Depression in Mice / N. Bondar, L. Bryzgalov, N. Ershov, F. Gusev // MolNeurobiol. – 2018. – V. 55. – № 4. – P. 3394-3407.</p>	<p>криминалистики. Методы Судебной Генетики, Москва, 10-11 сентября 2018 г.</p> <p>2. Peripubertal serum dioxins and subsequent adult semen quality and sperm methylome in the prospective russian children's study Сборник тезисов III всероссийской конференции с международным участием "Репродуктивное здоровье женщин и мужчин", Москва, 21-22 апреля 2018 г.</p> <p>5. Evolution of brain active gene promoters in human lineage towards the increased plasticity of gene regulation. 8-я Московская конференция по вычислительной молекулярной биологии (МССМВ 2017) Москва, 27-30 июля 2017 г.</p> <p>3. Геномика и эпигеномика функций и патологий мозга. Международный конгресс «VII съезд Вавиловского общества генетиков и селекционеров, посвященный 100-летию кафедры генетики СПбГУ, и ассоциированные симпозиумы» Санкт-Петербург, 18-22 июня 2019 г.</p>
--	--	--	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>6. Gunbin, K. V. Evolution of Brain Active Gene Promoters in Human Lineage Towards the Increased Plasticity of Gene Regulation / K. V. Gunbin, M. P. Ponomarenko, V. V. Suslov, F. Gusev et al. // <i>MolNeurobiol.</i> – 2018. – V. 55. – № 3. – P. 1871-1904.</p> <p>7. Bodogai, M. Commensal bacteria cause insulin resistance in aging by activating innate B1a cells. / M. Bodogai, J. O'Connell, K. Kim, Y. Kim et al. // <i>Science Translational Medicine.</i> – 2018 ( in press).</p>	
8.	Степченкова Елена Игоревна	Штатный	кандидат биологических наук, ученое звание отсутствует	<p>Разработка генетических технологий контроля и изменения наследственной информации на уровне экспрессии генов в поколениях эукариотических клеток и организмов</p> <p>Утверждена на Ученом совете: Протокол №5 от 22.05.2018</p>	<p>1. Жук, А. С. Оценка эффективности методов синхронизации клеточных делений у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / А. С. Жук, Е. И. Степченкова, Ю. И. Павлов, С. Г. Инге-Вечтомов // <i>Цитология.</i> – 2016. – №58(12). – С. 936-946.</p> <p>2. Zhuk, A. S. Identification of the <i>kar1-1</i> mutation, leading to increase of cytoduction frequency and decrease of hybridization frequency in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / A. S. Zhuk, S. P. Zadorsky, A. A. Shiriaeva, O. V. Kochenovae et al. // <i>Genetika.</i> – 2018. – №. 54. – P. 18-21.</p> <p>3. Андрейчук, Ю. В. Влияние прионизации белка Sup35 [PSI+] на частоту генетических нарушений, учитываемых в</p>	<p>1. Stepchenkova, E.I. Deletion of the <i>DEF1</i> gene does not confer UV-immutability but frequently leads to self-diploidization in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / E.I. Stepchenkova, A.A. Shiriaeva, Y.I. Pavlov // <i>DNA Repair.</i> – 2018. – V. 70. – P. 49-54.</p> <p>2. Zhuk, A. S. Identification of the <i>kar1-1</i> mutation, leading to increase of cytoduction frequency and decrease of hybridization frequency in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / A. S. Zhuk, S. P. Zadorsky, A.A. Shiriaeva, O.V. Kochenovae, et al. // <i>Genetika.</i> – 2018. – Т. 54. – P. 18-21.</p> <p>3. Popova, E.A. Molecular Docking Studies on the DNA and BSA Binding Interactions</p>	<p>1. Конструирование высокочувствительных штаммов дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> для выявления первичных повреждений генетического материала // 4-я ежегодная конференция Института трансляционной биомедицины СПбГУ Санкт-Петербург, 20-22 июля, 2018 г.</p> <p>2. Генотоксические эффекты при совместной обработке клеток дрожжей <i>S. cerevisiae</i> мутагенами с различным механизмом действия// 4-я ежегодная конференция Института трансляционной биомедицины СПбГУ Санкт-Петербург, 20-22</p>

				<p>альфа-тесте у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / Ю.В. Андрейчук, А. С. Жук, С. Г. Инге-Вечтомов, Е. И. Степченкова, А. А. Ширяева // Экологическая генетика. – 2015. – 13(4).</p>	<p>of palladium(II) and platinum(II) complexes featuring amides of tetrazol-1-yl- and tetrazol-5-ylacetic acids / E.A. Popova, A.V. Protas, A.V. Mukhametshina, G.K. Ovsepyana, R.V. et al. // Synthesis, Biological Evaluation, and Polyhedron. – 2019. – № 158. – P. 36-46.</p> <p>4. Zhuk, A.S. Evaluation of methods of synchronization of cell division in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / A.S. Zhuk, E.I. Stepchenkova, Y. I. Pavlov, S. G. Inge-Vechtomov // Cell and Tissue Biology. - 2017. – V. 11(2). – P. 111-122.</p> <p>5. Andreychuk, Yu.V. Impact of prionization of the Sup35 protein [PSI+] on the frequency of genetic changes, accounted in the alpha-test in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> / Yu.V. Andreychuk, A. A. Shiryayeva, A.S. Zhuk, E.I. Stepchenkova et al. // Russian Journal of Genetics: Applied Research. – 2017. – V. 7(2). – P. 172-174.</p> <p>6. Stepchenkova, E.I. Defect of Fe-S cluster binding by DNA polymerase <math>\delta</math> in yeast suppresses UV-induced mutagenesis, but enhances DNA polymerase <math>\zeta</math> – dependent spontaneous mutagenesis / E.I.</p>	<p>июля, 2018 г.</p> <p>3. Исследование мутагенеза при совместном действии редактирующих дезаминаз семейства APOBEC/AID и эталонных мутагенов у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> // V Международная конференция “Постгеном 2018” В поисках моделей персонализированной медицины. Казань. 29 октября – 2 ноября 2018 г.</p> <p>4. Изучение природы "незаконных" гибридов, лишенных хромосомы III и регистрируемых в альфа-тесте для дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i>. Международная конференция ХРОМОСОМА 2018. Новосибирск, 20-24 августа 2018 г.</p> <p>5. Improvement of a test-system for detecting inherited and non-inherited genetic changes in living cells // Bioinformatics of Genome Regulation and Structure\Systems Biology (BGRS\SB-2018) : The Eleventh International Conference, Novosibirsk, 20–25 Aug. 2018.</p> <p>6. Поиск факторов, влияющих на частоту</p>
--	--	--	--	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

					<p>Stepchenkova, E.R. Tarakhovskaya, H.M. Siebler, Y.I. Pavlov // DNA Repair. – 2017. – V. 49. – P. 60-69.</p> <p>7. Poliakov, E. Genetics in genomic era / E. Poliakov, D.N. Cooper, E.I. Stepchenkova, I.B. Rogozin // Genet Res Int. – 2015. – P. 364960.</p>	<p>диплоидизации у гаплоидных штаммов дрожжей Saccharomyces cerevisiae // XII Региональная молодежная экологическая школа-конференция в усадьбе «Сергиевка» 2018 «Современные проблемы естественных и трансформированных экосистем» Санкт-Петербург, Старый Петергоф, 29-30 ноября 2018 г.</p> <p>7. Phenotypic expression of the primary DNA lesions through the cell cycle in yeast Saccharomyces cerevisiae. // 28th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology. Prague, Czech Republic, Aug. 27 – Sep. 1, 2017.</p> <p>8. Two faces of control of DNA polymerase <math>\zeta</math> in yeast Saccharomyces cerevisiae by Fe-S cluster associated with the C-terminus of the DNA polymerase <math>\delta</math>. // 28th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology. Prague, Czech Republic, Aug. 27 – Sep. 1, 2017.</p> <p>9. Роль Fe-S кластера, ассоциированного с С-концом ДНК-полимеразы <math>\delta</math>,</p>
--	--	--	--	--	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

						<p>в контроле спонтанного и индуцированного мутагенеза, зависимого от ДНК-полимеразы <math>\zeta</math> у дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> Третья ежегодная конференция Института трансляционной биомедицины СПбГУ «Актуальные проблемы трансляционной биомедицины - 2017», 15 - 16 июля 2017 г.</p> <p>10. Alpha-test in yeast <i>Saccharomyces cerevisiae</i> as a system for the study of genetic material variability. Belyaev Conference. A triumphant event commemoration of the centenary of the birth of Academician Dmitri Belyaev, Novosibirsk, 7-10 August 2017.</p> <p>11. Fraction of hypermutable cells in microbial populations. International Scientific Conference commemorating the 80th birthday of Academician Yury P. Altukhov (1936–2006) and dedicated to the 45th Anniversary of the Laboratory of Population Genetics VIGG RAS named after Yu. P. Altukhov “Genetics of Population: Progress and Perspectives”. S. N. Skadovsky Zvenigorod</p>
--	--	--	--	--	--	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

							Biological Station of Biological Faculty of Lomonosov Moscow State University, 17–21 April 2017.
--	--	--	--	--	--	--	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------

Руководитель организации,  
осуществляющей образовательную деятельность  
ВРИО директора ИОГен РАН



/Столповский Юрий Анатольевич/

подпись

Ф.И.О. полностью



М.П.  
Дата составления 02.09.2019