

**ЗАКЛЮЧЕНИЕ ДИССЕРТАЦИОННОГО СОВЕТА 24.1.088.01  
(Д 002.214.01) НА БАЗЕ ФЕДЕРАЛЬНОГО ГОСУДАРСТВЕННОГО  
БЮДЖЕТНОГО УЧРЕЖДЕНИЯ НАУКИ ИНСТИТУТА ОБЩЕЙ  
ГЕНЕТИКИ ИМ. Н.И. ВАВИЛОВА РОССИЙСКОЙ АКАДЕМИИ  
НАУК ПО ДИССЕРТАЦИИ НА СОИСКАНИЕ УЧЕНОЙ СТЕПЕНИ  
КАНДИДАТА НАУК**

Аттестационное дело № \_\_\_\_\_

решение диссертационного совета от 21.05.2026 г., протокол № 04

О присуждении Казмирову Петру Алексеевичу, гражданину РФ, ученой степени кандидата биологических наук.

Диссертация «Генетическая структура популяций волка России и факторы её формирования» по специальности 1.5.7 – генетика принята к защите 19 марта 2026 г., протокол №02, диссертационным советом 24.1.088.01 (Д 002.214.01) на базе Федерального государственного бюджетного учреждения науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук (ИОГен РАН), 119991, ГСП-1, Москва, ул. Губкина, д. 3, приказ Минобрнауки РФ №105/нк от 11.04.2012 г.

Соискатель Казмиров Петр Алексеевич, 1998 года рождения, в 2021 г. окончил магистратуру Федерального государственного бюджетного образовательного учреждения высшего образования «Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова», биологический факультет, по направлению подготовки 06.04.01 Биология. В 2025 г. соискатель окончил очную аспирантуру Федерального государственного бюджетного учреждения науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук по направлению подготовки 1.5.7. Генетика. Диссертация Казмирова П.А. «Генетическая структура популяций волка России и факторы её формирования» выполнена в

лаборатории популяционной генетики им. академика Ю.П. Алтухова ИОГен РАН. Справка о сдаче кандидатских экзаменов выдана ИОГен РАН в 2024 г. В период подготовки диссертации Казимиров Петр Алексеевич работал в должности старшего лаборанта, инженера-исследователя, а также младшего научного сотрудника в лаборатории популяционной генетики им. академика Ю.П. Алтухова ИОГен РАН. В настоящее время работает в должности научного сотрудника этой же лаборатории.

**Научный руководитель** – Политов Дмитрий Владиславович, доктор биологических наук, заведующий лабораторией популяционной генетики им. академика Ю.П. Алтухова Федерального государственного бюджетного учреждения науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук, г. Москва.

**Официальные оппоненты:**

Баклушинская Ирина Юрьевна – доктор биологических наук, главный научный сотрудник лаборатории эволюции генома и механизмов видообразования Федерального государственного бюджетного учреждения науки Институт биологии развития им. Н.К. Кольцова РАН, г. Москва.

Холодова Марина Владимировна – доктор биологических наук, руководитель кабинета методов молекулярной диагностики Федерального государственного бюджетного учреждения науки Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова Российской академии наук, г. Москва.

Выбор официальных оппонентов определялся их большим опытом в области генетики и молекулярной биологии, наличием публикаций в ведущих рецензируемых журналах. Официальные оппоненты дали положительные отзывы. Заданы вопросы, высказаны незначительные замечания и комментарии, в основном, носящие дискуссионный характер.

Замечания не являются принципиальными и не снижают научной и практической значимости представленных в диссертации результатов.

**Ведущая организация:** Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова», г. Москва, дала положительное заключение, подготовленное ведущим научным сотрудником Научно-исследовательского Зоологического музея к.б.н. Крускопом Сергеем Вадимовичем, одобренное на заседании научно-технического совета Научно-исследовательского Зоологического музея директором Научно-исследовательского музея д.б.н. Калякиным М.В., учёным секретарём Научно-исследовательского музея к.б.н. Спасской Н.Н. и деканом биологического факультета Кирпичниковым М.П. и утверждённое проректором – начальником управления научной политики МГУ имени М.В. Ломоносова, чл.-корр. РАН Федяниным А.А. В заключении указано, что диссертационная работа Казимира Петра Алексеевича «Генетическая структура популяций волка России и факторы её формирования» представляет собой целостное и завершённое исследование, выполненное по актуальной теме на высоком профессиональном методологическом уровне. Его результаты имеют как научно-фундаментальное, так и прикладное значение. Содержание диссертационной работы Казимира Петра Алексеевича соответствует требованиям п.п. 9-14 положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденного Постановлением Правительства Российской Федерации №842 от 24.09.2013 (с действующими изменениями), предъявляемым к диссертациям, представленным на соискание степени кандидата биологических наук, а ее автор, Казимиров Петр Алексеевич, заслуживает присуждения искомой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 - Генетика биологической отрасли наук.

Выбор ведущей организации обусловлен ее фундаментальными и прикладными достижениями в сфере исследования соискателя, а также высоким профессиональным уровнем сотрудников.

### **Публикации в рецензируемых научных журналах:**

Соискатель имеет 5 публикаций по теме диссертации в рецензируемых научных журналах, рекомендованных ВАК и индексируемых в международных базах Scopus и Web of Science.

1. Казимиров П.А., Политов Д.В. Внутривидовая генетическая структура волка, *Canis lupus* Linnaeus, 1758 – современное состояние изученности // Успехи современной биологии 2022, Т. 142, № 5, С. 451-462.
2. Казимиров П.А., Леонтьев С.В., Нечаева А.В., Белоконь М.М., Белоконь Ю.С., Бондарев А.Я., Давыдов А.В., Политов Д.В. Популяционно-генетическая структура степного волка России и Казахстана по микросателлитным локусам // Генетика. 2022. Т. 58. № 11. С. 1261-1272.
3. Казимиров П.А., Белоконь Ю.С., Белоконь М.М., Бондарев А.Я., Давыдов А.В., Захаров Е.С., Леонтьев С.В., Политов Д.В. Генетическая структура популяций волка северной Евразии: оценка влияния исключения из анализа родственных особей // Генетика. 2024. Т. 60. № 7. С. 31-44.
4. Казимиров П.А., Белоконь Ю.С., Белоконь М.М., Мишин А.С., Стахеев В.В., Яровенко Ю.А., Яровенко А.Ю., Политов Д.В. Генетическая диагностика предполагаемых гибридов волка и обыкновенного шакала // Генетика 2024 Т. 60 № 6 С. 72-80.
5. Политов Д.В., Рябинина О.М., Давыдов А.В., Моргунов Н.А., Казимиров П.А. Свидетельства экспансии южного хищника на север: генетическая идентификация обыкновенного шакала, *Canis aureus* L. из центрального Нечерноземья и обзор динамики его ареала в

исторический период // Известия Российской академии наук. Серия биологическая. 2025. № 4. С. 385-396.

**На автореферат диссертации отзывы прислали:**

1. Бородин Павел Михайлович – доктор биологических наук, профессор, главный научный сотрудник лаборатории рекомбинационного и сегрегационного анализа ФИЦ Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, г. Новосибирск. Отзыв положительный, содержит замечания дискуссионного характера.
2. Савельев Александр Павлович – почётный работник науки и высоких технологий Российской Федерации, доктор биологических наук, главный научный сотрудник отдела охотничьего ресурсоведения и экологии животных ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт охотничьего хозяйства и звероводства им. проф. Б.М. Житкова», г. Киров. Отзыв положительный, замечаний нет.
3. Саловаров Виктор Олегович – доктор биологических наук, профессор, профессор кафедры охотоведения и биоэкологии ФГБОУ ВО «Иркутский государственный аграрный университет им. А.А. Ежевского», п. Молодежный, Иркутская область. Отзыв положительный, замечаний нет.
4. Жигилева Оксана Николаевна – доктор биологических наук, доцент, профессор кафедры экологии и генетики ФГАОУ ВО «Тюменский государственный университет», г. Тюмень. Отзыв положительный, замечаний нет.
5. Стахеев Валерий Владимирович – доктор биологических наук, главный научный сотрудник лаборатории наземных экосистем ФГБУН «Федеральный исследовательский центр Южный научный

- центр Российской академии наук», г. Ростов-на-Дону. Отзыв положительный, содержит замечания редакторского характера.
6. Ермаков Олег Александрович – кандидат биологических наук, доцент, доцент кафедры «Зоология и экология», ФГБОУ ВО «Пензенский государственный университет», г. Пенза. Отзыв положительный, содержит небольшие замечания.
  7. Ранюк Марьяна Николаевна – кандидат биологических наук, старший научный сотрудник лаборатории экологии охотничьих животных ФГБУН Институт экологии растений и животных Уральского отделения Российской академии наук, г. Екатеринбург. Отзыв положительный, замечаний нет.
  8. Давыдов Андрей Васильевич – кандидат биологических наук, заведующий отделом мониторинга и опытных работ в охотничьем хозяйстве ФГБУ «Федеральный научно-исследовательский центр развития охотничьего хозяйства», г. Москва. Отзыв положительный, замечаний нет.
  9. Абрамсон Наталья Иосифовна – кандидат биологических наук, ведущий научный сотрудник, руководитель лаборатории эволюционной геномики и палеогеномики ФГБУН Зоологический институт Российской академии наук, г. Санкт-Петербург. Отзыв положительный, содержит замечания редакторского характера.
  10. Захаров Евгений Сергеевич – кандидат биологических наук, ведущий научный сотрудник лаборатории по изучению экологического состояния Арктики (БиоМ) Института естественных наук ФГАОУ ВО Северо-Восточный федеральный университет им. М.К. Аммосова, г. Якутск. Отзыв положительный, замечаний нет.
  11. Сорокин Павел Александрович – кандидат биологических наук, старший научный сотрудник кабинета методов молекулярной диагностики ФГБУН Институт проблем экологии и эволюции им.

А.Н. Северцова Российской академии наук, г. Москва. Отзыв положительный, содержит незначительные замечания.

12. Тирронен Константин Феликсович – кандидат биологических наук, ведущий научный сотрудник лаборатории зоологии Института биологии ФГБУН ФИЦ «Карельский научный центр Российской академии наук», г. Петрозаводск. Отзыв положительный, содержит вопросы и комментарии.

**Диссертационный совет отмечает**, что представленная П.А. Казимировым работа является самостоятельным и комплексным научным исследованием. Диссертация посвящена изучению популяционно-генетической структуры волка на территории России и влияющих на неё факторов. Популяция волка России является крупнейшей цельной, ненарушенной популяцией волка, ее исследование позволяет не только изучить генетические процессы в минимально нарушенной популяции, но и отслеживать миграционные потоки в восстанавливающиеся популяции-реципиенты. Протяжённость исследованной территории в меридиональном направлении позволяет провести генетическое сравнение групп, соответствующих выделяемым по морфологии и экологии подвидам волка. Также большая протяжённость зоны исследований позволяет изучить структуру родственных связей на больших географических расстояниях.

В рамках диссертационной работы впервые изучено генетическое разнообразие популяций волка на территории, охватывающей практически весь ареал в пределах России. Впервые по микросателлитным локусам проанализирована популяционно-генетическая структура волка в европейской и азиатской частях России и на прилегающих территориях Казахстана. Впервые изучена структура родственных связей на протяженной географической шкале и проведена оценка их влияния на результаты популяционно-генетического анализа. Впервые исследована

внутривидовая генетическая подразделённость волка на основе мтДНК в европейской части России и в Сибири. Впервые для данной части ареала проведен анализ возможного антропогенного воздействия на формирование популяционной структуры волка.

**Теоретическая значимость исследования.** Результаты работы содержат данные о генетической структуре крупнейшей относительно ненарушенной популяции волка, которые позволяют сделать выводы о формировании популяционной структуры хищника в отсутствии жёсткого антропогенного пресса, а также в разных эко- и климатических зонах – от степей и полупустынь до тундры.

**Значение полученных соискателем результатов исследования для практики.** Результаты работы могут быть использованы при разработке стратегий регуляции численности волка на региональном, федеральном и международных уровнях и формировании квот добычи этого хищника. Использование полученных генетических данных в регуляторной деятельности может способствовать достижению оптимальной численности волка без потери генетического разнообразия. Данные о генетическом разнообразии и структуре популяций, служащих донорами для восстанавливающихся популяций стран Центральной, Восточной и Северной Европы, могут быть использованы для отслеживания миграционных путей и генетических потоков, поддерживающих растущие популяции. Результаты работы также могут быть использованы в образовательном процессе при обучении студентов и аспирантов по молекулярно-генетическим, зоологическим, экологическим и охотоведческим направлениям и в курсах повышения квалификации по этим специальностям.

**Оценка достоверности результатов исследования:** Надежность и достоверность полученных результатов обеспечиваются использованием современных высокоточных молекулярно-генетических методик,

воспроизводимостью экспериментальных данных, высоким уровнем статистической значимости проведенных тестов, а также публикацией основных результатов в авторитетных рецензируемых научных изданиях. Все данные, лежащие в основе выводов работы, подробно представлены в тексте диссертации.

**Личный вклад соискателя.** Планирование диссертационной работы, формулирование целей и задач исследования, рабочих гипотез, выбор методов, написание текста диссертации и статей были проведены автором лично. Автором работы выполнены полностью или частично при участии коллег: выделение ДНК, постановка ПЦР-реакций и электрофорезов, анализ последовательностей митохондриальной ДНК. Автором лично проведены: постановка капиллярного электрофореза на оборудовании ИОГен РАН, считывание результатов капиллярного электрофореза, проведение статистической обработки полученных генотипов, анализ популяционной и филогеографической структуры волка, оценка влияния исключения родственных особей из анализа, оценка влияния антропогенных и географических факторов на популяционную структуру волка.

Диссертация Казиминова Петра Алексеевича «Генетическая структура популяций волка России и факторы её формирования» полностью соответствует критериям п.п. 9-14 Положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденного Постановлением Правительства Российской Федерации №842 от 24.09.2013 г. (с действующими изменениями), предъявляемым к диссертациям, представленным на соискание степени кандидата биологических наук.

На заседании 21 мая 2026 г. диссертационный совет принял решение присвоить Казимирову Петру Алексеевичу ученую степень кандидата биологических наук по специальности 1.5.7. – генетика биологической

отрасли наук. При проведении тайного голосования диссертационный совет в количестве 12 человек, из них 12 докторов наук по специальности 1.5.7. - генетика, участвовавших в заседании, из 17 человек, входящих в состав совета, проголосовали: за – 12 человек, против – нет, недействительных бюллетеней нет.

Председатель  
диссертационного совета



Захаров-Гезехус И.А.

Ученый секретарь  
диссертационного совета

Горячева И.И.

21 мая 2026 г.