

Отзыв на автореферат диссертации Жур Кристины Валерьевны
на тему «Анализ древней ДНК единичных археологических образцов как
фундаментальная основа для построения исторических гипотез»
представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук
по специальности 1.5.7 – генетика

Ознакомившись с авторефератом диссертационной работы Кристины Валерьевны Жур необходимо отметить, что работа находится на стыке не только биологических и медицинских наук, но и таких дисциплин как история, археология и политология. Современные исследования в области исторической генетики и этнического происхождения являются инструментом для опровержения политических манипуляций, на которых основаны экстремистские теории о превосходстве одних народов над другими, а также для проверки и уточнения историографических данных и археологических гипотез, что играют важную роль в формировании глобальных научных представлений о прошлом человечества

Проведенное исследование посвящено решению актуальной научной задачи, находящейся на стыке многих наук – разработке и применению комплексных методов анализа древней ДНК (дДНК) для реконструкции геномов уникальных археологических образцов и проверки исторических гипотез.

Актуальность работы Кристины Валерьевны не вызывает сомнений. Стремительное развитие палеогеномики открыло беспрецедентные возможности для изучения прошлого человечества, однако в России данное направление до недавнего времени было развито недостаточно. Диссертантка не только справедливо констатирует существующие методологические проблемы и дефицит компетенций в области популяционно-генетического анализа, но и предлагает конкретные, апробированные на практике решения.

В ходе выполнения диссертационной работы Жур К.В. разработала и экспериментально подтвердила эффективность усовершенствованной системы лабораторной пробоподготовки дДНК для высокопроизводительного секвенирования. Предложенная методика, основанная на конвертации одноцепочечной ДНК с использованием урацил-толерантной полимеразы, обеспечивает повышенную сохранность аутентичных древних молекул. Также автором предложен и успешно применен комплексный аналитический маршрут, интегрирующий современные методы анализа аутомомных данных (РСА, ADMIXTURE, F-статистики, qAdm, IBD-анализ).

В работе впервые был проанализирован древний геном представителя княжеского рода Рюриковичей, великого князя Владимирского, Дмитрия Александровича, сына великого князя Александра Ярославича Невского. Установлена Y-хромосомная гаплогруппа N1a останков, подтвержденная анализом современных потомков, и выявлен сложный генетический профиль, сочетающий европейский, степной и восточно-евразийский компоненты. Полученные научные данные представляют огромный интерес для генетиков, историков, археологов и предоставляют мощный инструмент для проверки летописных сведений и реконструкции генеалогических и миграционных процессов в средневековой Руси.

Палеогенетический анализ уникального образца древней ДНК представителя культуры Дарквети-Мешоко из Нальчикского коллективного могильника эпохи энеолита на Северном Кавказе выявил наличие у исследуемого индивида родственных связей с представителями энеолитической Хвалынской

культуры среднего Поволжья. Полученные данные позволили впервые выдвинуть гипотезу о распространении главных хозяйственных атрибутов неолитического образа жизни из Западной Азии через Кавказ в степи Восточной Европы.

Выявленные генетические связи с хвалынской культурой Среднего Поволжья позволили диссертантке обоснованно выдвинуть гипотезу о кавказском маршруте распространения неолитического образа жизни в степи Восточной Европы, что является важным вкладом в дискуссию о путях неолитизации Евразии и распространении индоевропейских языков.

Достоверность полученных результатов не вызывает сомнений и подтверждается применением современных, общепризнанных в мировой практике методов лабораторной работы с дДНК и секвенирования, использованием комплексного биоинформатического и статистического аппарата, публикацией основных результатов в высокорейтинговых рецензируемых журналах, включая издания из перечня ВАК и международные журналы (например, iScience), что свидетельствует о признании работы научным сообществом.

Представленная к защите работа вносит существенный вклад в развитие исследований древней ДНК в России, поскольку создает основу для корректного проведения палеогенетических исследований с высокой воспроизводимостью и достоверностью получаемых данных.

Диссертационная работа полностью соответствует требованиям, предъявляемым к диссертациям на соискание ученой степени кандидата биологических наук в соответствии с пп. 9-14 Положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденного Постановлением Правительства Российской Федерации от 24.09.2013 г. № 842, а ее автор, Жур Кристина Валерьевна, заслуживает присвоения степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика.

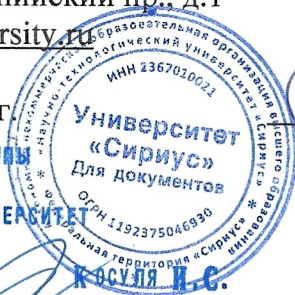
Я, Александр Дмитриевич Егоров, согласен на включение в аттестационное дело и дальнейшую обработку моих персональных данных, необходимых для процедуры защиты диссертации Жур Кристины Валерьевны, исходя из нормативных документов Правительства РФ, Минобрнауки РФ и ВАК при Минобрнауки РФ, в том числе на размещение их в сети Интернет на сайте ИОГен РАН, на сайте ВАК, в единой информационной системе.

Александр Дмитриевич Егоров
кандидат биологических наук по специальности
1.5.3 – Молекулярная биология
Ведущий научный сотрудник направления «Генная терапия»,
Научного центра трансляционной медицины,
Автономной некоммерческой образовательной организации высшего образования
«Научно-технологический университет «Сириус» (АНОО ВО «Университет
«Сириус»)

354340, Российская Федерация, Краснодарский край, федеральная территория
«Сириус», Олимпийский пр., д.1
<https://siriusuniversity.ru>

27 октября 2025 г.

Руководитель группы
по работе с НТР
АНОО ВО «Университет
«Сириус»



27.10.25