

СВЕДЕНИЯ об официальном оппоненте
(Согласие на оппонирование)

Я, Глотов Андрей Сергеевич,

Фамилия имя отчество

Согласен (согласна) быть официальным оппонентом

Михайловой Алины Геннадьевны

фамилия имя отчество

по кандидатской диссертации на тему Мутационные спектры мтДНК животных
по специальности 1.5.7. – генетика

Дата защиты: 24.10.2024

О себе сообщаю:

Ученая степень доктор биологических наук

Шифр и наименование специальности 03.02.07 – Генетика

Ученое звание нет


Должность заведующий отделом геномной медицины им. В.С. Баранова

Место работы, телефон, электронный адрес Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Научно-исследовательский институт акушерства, гинекологии и репродуктологии имени Д.О. Отта», 199034, Санкт-Петербург, Менделеевская линия, д. 3; e-mail: iagmail@ott.ru, Телефон: +7 (812) 325-32-20

Я, Глотов Андрей Сергеевич Согласен (Согласна) на включение в аттестационное дело и дальнейшую обработку моих персональных данных, необходимых для процедуры защиты Михайловой Алины Геннадьевны, исходя из нормативных документов Правительства РФ, Минобрнауки РФ и ВАК при Минобрнауки РФ, в том числе на размещение их в сети Интернет на сайте ИОГен РАН, на сайте ВАК, в единой информационной системе.

Заведующий отделом геномной медицины им. В.С. Баранова Федерального государственного Бюджетного научного учреждения «Научно-исследовательский институт акушерства, гинекологии и репродуктологии имени Д.О. Отта», д.б.н.

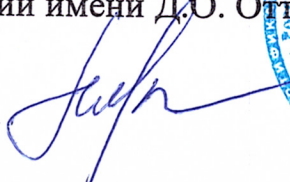
Глотов А.С.

 02.09.2024

Подпись Глотова А.С. заверяю:

Ученый секретарь Федерального государственного бюджетного научного учреждения «Научно-исследовательский институт акушерства, гинекологии и репродуктологии имени Д.О. Отта» к.м.н.

Пачулия О.В.





Список публикаций Глотова Андрея Сергеевича
по теме оппонируемой диссертации:

1. Maksiutenko E.M., Merkureva V., Barbitoff Y.A., Tsay V.V., Aseev M.V., Glotov A.S., Glotov O.S. Exome sequencing identifies pathogenic variants associated with respiratory failure in extreme altitude mountaineers // *Physiol Rep.* 2024 Apr;12(8):e16015. doi: 10.14814/phy2.16015, Q2
2. Fedotov S.A., Khrabrova M.S., Vashukova E.S., Glotov A.S., Anpilova A.O., Dobronravov V.A., et al. (2024) Diagnostics of preeclampsia based on Congo red binding to urinary components: Rationales and limitations. *PLoS ONE* 19(1): e0297144. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0297144>
3. Koshevaya Y.S., Turkunova M.E., Vechkasova A.O., Serebryakova E.A., Donnikov M.Yu., Papanov S.I., Chernov A.N., Kolbasin L.N., Kovalenko L.V., Glotov A.S., and Glotov O.S. The experience of exome sequencing for the diagnostics of osteogenesis imperfecta in Russian patients // *Curr. Issues Mol. Biol.* 2024, 46, 4106-4118. <https://doi.org/10.3390/cimb46050252>, Q2
4. Glotov O.S., Chernov A.N., Glotov A.S. Human Exome Sequencing and Prospects for Predictive Medicine: Analysis of International Data and Own Experience // *Journal of Personalized Medicine.* 2023; 13(8):1236. <https://doi.org/10.3390/jpm13081236>, Q2
5. Глотов О.С., Чернов А.Н., Глотов А.С., Баранов В.С. Перспективы применения экзомного секвенирования для решения проблем в репродукции человека (часть I) // *Акушерство и гинекология.* 2022. №12. С. 34-39 <https://dx.doi.org/10.18565/aig.2022.221>
6. Глотов О.С., Чернов А.Н., Глотов А.С., Баранов В.С. Перспективы применения экзомного секвенирования для решения проблем в репродукции человека (часть II) // *Акушерство и гинекология.* 2022. №12. С. 40-45 <https://dx.doi.org/10.18565/aig.2022.220>
7. Glotov, O., Chernov, A., Fedyakov, M., Larionova, V., Zaretsky, A., Donnikov, M., & Glotov, A. (2022). Personalized medicine: the role of sequencing technologies in diagnostics, prediction and selection of treatment of monogenous and multifactorial diseases. *Biological Communications*, 67(4), 266–285. <https://doi.org/10.21638/spbu03.2022.403>, Q3
8. Монография *Predictive Medicine Evolution* / Edited by V.S.Baranov. – Saint-Petersburg: Eco-Vector, 2022. 359 p.
9. Barbitoff Y.A., Polev D.E., Glotov A.S. Serebryakova E.S., Shcherbakova I.V., Kiselev A.M., Kostareva A.A., Glotov O.S., Predeus A.V. Systematic dissection of biases in whole-exome and whole-genome sequencing reveals major determinants of coding sequence coverage // *Scientific Reports.* – 2020. – Т. 10. – №. 1. – С. 2057.

10. Nasykhova YA, Barbitoff YA, Serebryakova EA, Katserov DS, Glotov AS.
Recent advances and perspectives in next generation sequencing application to
the genetic research of type 2 diabetes // World journal of diabetes. – 2019. – Т.
10. – №. 7. – С. 376.

Заведующий отделом геномной медицины им. В.С. Баранова Федерального
государственного Бюджетного научного учреждения «Научно-
исследовательский институт акушерства, гинекологии и репродуктологии имени
Д.О. Отта», д.б.н.

Глотов А.С.



02.09.2024

Подпись Глотова А.С. заверяю:

Ученый секретарь Федерального государственного бюджетного научного
учреждения «Научно-исследовательский институт акушерства, гинекологии и
репродуктологии имени Д.О. Отта», к.м.н.

Пачулия О.В.

