

СВЕДЕНИЯ об официальном оппоненте  
(Согласие на оппонирование)

Я, Черняева Екатерина Николаевна,  
Фамилия имя отчество  
Согласен (согласна) быть официальным оппонентом Скитченко Ростислава  
Константиновича

фамилия имя отчество  
по кандидатской диссертации на тему ВЛИЯНИЕ ЧАСТОТНОГО СПЕКТРА АЛЛЕЛЕЙ НА  
РИСКИ ЗАБОЛЕВАНИЙ В РАМКАХ КОГОРТНЫХ ИССЛЕДОВАНИЙ

по специальности 1.5.7. – генетика

Дата защиты: 14.03.2024

О себе сообщаю:

Ученая степень кандидат биологических наук

Шифр и наименование специальности 03.01.04, биохимия

Ученое звание нет

Должность заведующий лабораторией

Место работы, телефон, электронный адрес:

Федеральное государственное бюджетное учреждение «Центр стратегического  
планирования и управления медико-биологическими рисками здоровью» Федерального медико-  
биологического агентства

+7 495 540 61 75, echernyaeva@cspmz.ru

Согласна на включение в аттестационное дело и дальнейшую обработку моих персональных данных, необходимых для процедуры защиты диссертации Скитченко Ростислава Константиновича, исходя из нормативных документов Правительства РФ, Минобрнауки РФ и ВАК при Минобрнауки РФ, в том числе на размещение их в сети Интернет на сайте ИОГен РАН, на сайте ВАК, в единой информационной системе.

Черняева Е.Н., Скитченко Р.В.  
ФИО подпись

28.02.2024  
дата

Подпись заверяю: Учредитель секретарь ФГБУ ИОГен РАН Скитченко Р.В.  
Должность, Боссекрет

Подпись заверяю: Помощник генерального директора ИОГен РАН Александр В.Т.  
29.02.2024



**Список публикаций Черныяевой Е.П. по теме оппонируемой диссертации:**

1. Chernyaeva, Ekaterina N; Shulgina, Marina V; Rotkevich, Mikhail S; Dobrynin, Pavel V; Simonov, Serguei A; Shitikov, Egor A; Ischenko, Dmitry S; Karpova, Irina Y; Kostryukova, Elena S; Ilina, Elena N; ,Genome-wide Mycobacterium tuberculosis variation (GMTV) database: a new tool for integrating sequence variations and epidemiology, *BMC genomics*, 15,, 1-8, 2014, BioMed Central
2. Zimenkov, Danila V; Kulagina, Elena V; Antonova, Olga V; Krasnova, Maria A; Chernyaeva, Ekaterina N; Zhuravlev, Vyacheslav Y; Kuz'min, Alexey V; Popov, Sergey A; Zasedatelev, Alexander S; Gryadunov, Dmitry A; ,Evaluation of a low-density hydrogel microarray technique for mycobacterial species identification, *Journal of clinical microbiology*, 53, 4, 1103-1114, 2015, American Society for Microbiology 1752 N St., NW, Washington, DC
3. Velichko, Natalia; Chernyaeva, Ekaterina; Averina, Svetlana; Gavrilova, Olga; Lapidus, Alla; Pinevich, Alexander; ,Consortium of the 'bichlorophyllous' cyanobacterium *P. rochlorothrix hollandica* and chemoheterotrophic partner bacteria: culture and metagenome-based description, *Environmental microbiology reports*, 7, 4, 623-633, 2015,
4. Mokrousov, Igor; Vyazovaya, Anna; Solovieva, Natalia; Sunchalina, Tatiana; Markelov, Yuri; Chernyaeva, Ekaterina; Melnikova, Natalia; Dogonadze, Marine; Starkova, Daria; Vasilieva, Neliya; ,Trends in molecular epidemiology of drug-resistant tuberculosis in Republic of Karelia, Russian Federation, *BMC microbiology*, 15,, 1-10, 2015, BioMed Central
5. Mokrousov, Igor; Chernyaeva, Ekaterina; Vyazovaya, Anna; Sinkov, Viacheslav; Zhuravlev, Viacheslav; Narvskaya, Olga; ,Next-generation sequencing of Mycobacterium tuberculosis, *Emerging infectious diseases*, 22, 6, 1127, 2016, Centers for Disease Control and Prevention
6. Makunin, Alexey I; Kichigin, Ilya G; Larkin, Denis M; O'Brien, Patricia CM; Ferguson-Smith, Malcolm A; Yang, Fengtang; Proskuryakova, Anastasiya A; Vorobieva, Nadezhda V; Chernyaeva, Ekaterina N; O'Brien, Stephen J; ,Contrasting origin of B chromosomes in two cervids (Siberian roe deer and grey brocket deer) unravelled by chromosome-specific DNA sequencing, *BMC genomics*, 17,, 1-14, 2016, BioMed Central
7. Velichko, Natalia; Rayko, Mikhail; Chernyaeva, Ekaterina; Lapidus, Alla; Pinevich, Alexander; ,Draft genome of *Prochlorothrix hollandica* CCAP 1490/IT (CALU1027), the chlorophyll a/b-containing filamentous cyanobacterium, *Standards in Genomic Sciences*, 11, 1, 1-7, 2016, BioMed Central
8. Acosta, Fermín; Chernyaeva, Ekaterina; Mendoza, Libardo; Sambrano, Dilcia; Correa, Ricardo; Rotkevich, Mikhail; Tarté, Miroslava; Hernández, Humberto; Velazco, Bredio; de Escobar, Cecilia; ,*Mycobacterium bovis* in Panama, 2013, *Emerging Infectious Diseases*, 21, 6, 1059, 2015, Centers for Disease Control and Prevention
9. Mokrousov, Igor; Shitikov, Egor; Skiba, Yuriy; Kolchenko, Sergey; Chernyaeva, Ekaterina; Vyazovaya, Anna; ,Emerging peak on the phylogeographic landscape of Mycobacterium tuberculosis in West Asia: definitely smoke, likely fire, *Molecular phylogenetics and evolution*, 116,, 202-212, 2017, Academic Press
10. Mokrousov, Igor; Chernyaeva, Ekaterina; Vyazovaya, Anna; Skiba, Yuriy; Solovieva, Natalia; Valcheva, Violeta; Levina, Klavdia; Malakhova, Natalya; Jiao, Wei-Wei; Gomes, Lia Lima; ,Rapid assay for detection of the epidemiologically important Central Asian/Russian strain of the Mycobacterium tuberculosis Beijing genotype, *Journal of clinical microbiology*, 56, 2, 10.1128/jcm. 01551-17, 2018, American Society for Microbiology 1752 N St., NW, Washington, DC

11. Chernyaeva, Ekaterina, Rozkevich, Mikhail, Krasheninnikova, Ksenia, Yurchenko, Andrey, Vyazovaya, Anna, Mokrousov, Igor, Solovieva, Natalia, Zhuravlev, Viacheslav, Yablonsky, Piotr, Brien, Stephen J. O'. Whole-Genome Analysis of *Mycobacterium tuberculosis* from Patients with Tuberculous Spondylitis, Russia, *Emerging Infectious Diseases*, 24, 3, 579-583, 2018, CDC
12. Ostromyshenskii, Dmitrii I.; Chernyaeva, Ekaterina N., Podgornaya, Inna V. Ruzmetova and Olga I.; Mouse chromosome centromere DNA content: sequencing and in silico analysis, *BMC Genomics*, 19, 151, 2018, BMC
13. Makunin, Alexey I. Romunenko, Svetlana A. Beklemisheva, Violetta R. Perelman, Polina L. Druzhkova, Anna S. Petrova, Kristina O. Prokopov, Dmitry Yix, Chernyaeva, Ekaterina N. Johnson, Jennifer L. Kulekova, Anna V.; Sequencing of supernumerary chromosomes of red fox and raccoon dog confirms a non-random gene acquisition by B chromosomes, *Genes*, 9, 8, 405, 2018, MDPI
14. Остромышенский Д.И., Комиссаров А.С., Кузнецова И.С., Черняева Е.Н., Вайсертрейгер И.Р., Подгорная О.И., Состав ДНК хромосомов мыши in silico и in situ. Фрагменты LINE и ERV – обязательный компонент ДНК хромосомов кроме tandemных повторов. *Цитология*, 58, 5, 389-392, 2016
15. Mokrousov, Igor, Vyazovaya, Anna, Raschuk, Oksana, Gerasimova, Alena, Dymova, Maya, Chernyaeva, Ekaterina, Tatarintseva, Marina, Stasenko, Vladimir; Early ancient sublineages of *Mycobacterium tuberculosis* Beijing genotype: unexpected clues from phylogenomics of the pathogen and human history, *Clinical Microbiology and Infection*, 25, 8, 1039. e1-1039. e6, 2019, Elsevier
16. Shchepin, Oleg N; Schnittler, Martin; Erastova, Daria A; Prikhodko, Pya S; Dahl, Mathilde Borg; Azarov, Danil V; Chernyaeva, Ekaterina N; Novozhilov, Yuri K; Community of dark-spored myxomycetes in ground litter and soil of taiga forest (Nizhne-Svirskiy Reserve, Russia) revealed by DNA metabarcoding, *Fungal Ecology*, 39, 80-93, 2019, Elsevier
17. Zhernakova, Daria V; Brukhin, Vladimir, Malov, Sergey; Oleksyk, Taras K; Koepfli, Klaus Peter; Zhuk, Anna; Dobrynin, Pavel; Kliver, Sergei; Cherkasov, Nikolay; Tamazian, Gaik; Genome-wide sequence analyses of ethnic populations across Russia, *Genomics*, 112, 1, 442-458, 2020, Academic Press
18. O'Brien, SJ; Zhernakova, DV; Brukhin, V; Malov, S; Oleksyk, TK; Koepfli, KP; Zhuk, A; Dobrynin, P; Kliver, S; Cherkasov, N; THE GENOME RUSSIA PROJECT-2019, VII Съезд Вавилонского общества генетиков и селекционеров, посвященный 100-летию кафедры генетики СПбГУ, и ассоциированные симпозиумы, 89-89, 2019,
19. Brukhin, V; Zhernakova, DV; Malov, TK; Oleksyk, TK; Koepfli, KP; Zhuk, A; Dobrynin, P; Kliver, S; Cherkasov, N; Tamazian, G; Diversity of genomic variants and population genetics of ethnic and regional groups across Russia, *Molecular Phylogenetics*, 6-7, 2018,
20. Zhernakova, DV; Brukhin, V; Malov, S; Oleksyk, TK; Koepfli, KP; Zhuk, A; Dobrynin, P; Kliver, S; Cherkasov, N; Tamazian, G; Diversity of genomic variants and population genetics of ethnic and regional groups across Russia, *Biodiversity: Genomics and Evolution (BioGenEvo-2018)*, 57-57, 2018,
21. Narvskaya, Olga; Starkova, Daria; Levi, Diana; Alexandrova, Natalia, Molchanov, Vladimir; Chernyaeva, Ekaterina; Vyazovaya, Anna; Mushkin, Alexander; Zhuravlev, Viacheslav; Solovieva, Natalia; First insight into the whole-genome sequence variations in *Mycobacterium bovis* BCG-1 (Russia) vaccine seed lots and their progeny clinical isolates from children with BCG-induced adverse events, *BMC genomics*, 21, 1, 1-12, 2020, BioMed Central

