

## СВЕДЕНИЯ

об официальном оппоненте по кандидатской диссертации Литвинова Андрея Николаевича «Митохондриальная геномика популяций русского населения Восточной Европы», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика.

Прохорчук Егор Борисович – доктор биологических наук (специальность 03.01.03 – молекулярная биология), заведующий лабораторией геномики и эпигеномики позвоночных в Федеральном государственном учреждении «Федеральный исследовательский центр «Фундаментальные основы биотехнологии» Российской академии наук», 119071, Москва, Ленинский пр., 33 стр.2, телефон: 8 (495) 954-52-83, email:info@fbras.ru

Список публикаций Прохорчука Егора Борисовича по специальности оппонируемой диссертации:

1. Трифонов, В. А., Прохорчук, Е. Б., & Жур, К. В. Результаты анализов ДНК древних народов Кавказа (6-2 тыс. до нэ) и вопросы их культурно-исторической интерпретации. // ТРУДЫ VI (XXII) ВСЕРОССИЙСКОГО АРХЕОЛОГИЧЕСКОГО СЪЕЗДА в Самаре(2020). (pp. 347-349).
2. Рыжкова, О. П., Кардымон, О. Л., Прохорчук, Е. Б., Коновалов, Ф. А., Масленников, А. Б., Степанов, В. А., ... & Куцев, С. И. (2019). Руководство по интерпретации данных последовательности ДНК человека, полученных методами массового параллельного секвенирования (MPS)(редакция 2018, версия 2). Медицинская генетика, 18(2), 3-23. <https://doi.org/10.25557/2073-7998.2019.02.3-23>
3. Triska Petr, Chekanov Nikolay, Stepanov Vadim, Khusnutdinova Elza K., Kumar Ganesh Prasad Arun, Akhmetova Vita, Babalyan Konstantin, Boulygina Eugenia, Kharkov Vladimir, Gubina Marina, Khidiyatova Irina, Khitrinskaya Irina, Khrameeva Ekaterina E., Khusainova Rita, Konovalova Natalia, Litvinov Sergey, Marusin Andrey, Mazur Alexandr M., Puzyrev Valery, Ivanoshchuk Dinara, Spiridonova Maria, Teslyuk Anton, Tsygankova Svetlana, Triska Martin, Trofimova Natalya, Vajda Edward, Balanovsky Oleg, Baranova Ancha, Skryabin Konstantin, Tatarinova Tatiana V., Prokhortchouk Egor. Between Lake Baikal and the Baltic Sea: genomic history of the gateway to Europe // BMC Genetics. - 2017. - V.18. <https://doi.org/10.1186/s12863-017-0578-3>

4. Morozova I., Flegontov P., Mikheyev A.S., Bruskin S., Asgharian H., Ponomarenko P., Klyuchnikov V., ArunKumar G., Prokhortchouk E., Gankin Y., Rogaev E., Nikolsky Y., Baranova A., Elhaik E., Tatarinova T.V. Toward high-resolution population genomics using archaeological samples // *DNA Research*. 2016 – V.23. - № 4. – P. 295-310. <https://doi.org/10.1093/dnares/dsw029>
5. Pedersen JS1, Valen E, Velazquez AM, Parker BJ, Rasmussen M, Lindgreen S, Lilje B, Tobin DJ, Kelly TK, Vang S, Andersson R, Jones PA, Hoover CA, Tikhonov A, Prokhortchouk E, Rubin EM, Sandelin A, Gilbert MT, Krogh A, Willerslev E, Orlando L. Genomewide nucleosome map and cytosine methylation levels of an ancient human genome // *Genome Res*. - 2014-3. - P.454-66.
6. Чеканов Н., Булыгина Е., Белецкий А., Прохорчук Е., Скрыбин К. Характеристика генома русского мужчины на основе анализа однонуклеотидных полиморфизмов и реконструкции последовательностей ДНК // *Acta Naturae*. 2010. - №2 - С.140-145.
7. Скрыбин К.Г., Прохорчук Е.Б., Мазур А.М., Булыгина Е.С., Цыганкова С.В., Недолужко А.В., Расторгуев С.М., Матвеев В.Б., Чеканов Н.Н., Горанская Д.А., Теслюк А.Б., Груздева Н.М., Велихов В.Е., Заридзе Д.Г., Ковальчук М.В. Комбинирование двух технологических платформ для полногеномного секвенирования человека // *Acta Naturae*. – 2009. - №1. – С.113-119.