

**Сведения  
о ведущей организации по диссертации на соискание  
ученой степени кандидата биологических наук  
по специальности 03.02.07 – «генетика»  
Дьячковой Марины Сергеевны по теме:  
«Сравнительный эволюционный и функциональный анализ  
генов кластера PFNA у представителей рода *Bifidobacterium*»**

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук»
Сокращенное наименование:	ИЦиГ СО РАН
Почтовый адрес с индексом:	630090, Новосибирск, Россия, пр.ак.Лаврентьева, 10
Телефон:	+7(383) 363-49-80
e-mail:	<a href="mailto:icg-adm@bionet.nsc.ru">icg-adm@bionet.nsc.ru</a>
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Кочетов Алексей Владимирович, доктор биологических наук, член-корреспондент РАН, директор
Адрес официального сайта в сети «Интернет»:	<a href="http://www.bionet.nsc.ru/">http://www.bionet.nsc.ru/</a>
Лаборатории, кафедры или др. научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Лаборатория эволюционной биоинформатики и теоретической генетики, Лаборатория молекулярно-генетических систем, Кафедра информационной биологии

**Список основных публикаций работников ИЦиГ СО РАН по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет:**

1. Rozanov A.S., Shipova A.A., Korzhuk A.V., Bryanskaya A.V., Peltek S.E. Draft Genome Sequence of Halorubrum sp. strain 48-1-W from a Saline Lake in the Novosibirsk Region, Russia. // Microbiology Res. Announc., 2019, e01139-18.
2. Rozanov A.S., Korzhuk A.V., Shipova A.A., Bryanskaya A.V., Peltek S.E. Draft genome sequence of Bacillus altitudinis strain KU-skv2(2), isolated from a microbial mat on an anthropogenic pipe from Caldera Uzon (Kamchatka, Russia) // Genome Announc., 2018, 6(5): e01572-17.
3. Rozanov A.S., Korzhuk A.V., Bryanskaya A.V., Peltek S.E. Draft genome sequence of Anoxybacillus flavithermus KU2-6-11 isolated from hot-spring in Uzon caldera (Kamchatka, Russia) // Genome Announc, Data in Brief, 2018, 16:758-761.
4. Rozanov A.S., Shipova A.A., Bryanskaya A.V., Tekutieva L.A., Son O.M., Peltek S.E. Draft genome sequence of Bacillus altitudinis strain KL4, isolated from bottom sediments in Lake Krotovaya Lyaga (Novosibirsk Region, Russia) // Genome Announc., 2018, 8;6(6). doi: 10.1128/genomeA.01494-17.

5. Rozanov A.S., Bryanskaya A.V., Ivanisenko T.V., Malup T.K., Peltek S.E. Genetic diversity and metabolic pathways of the microbial mat of the Garga hot spring // BMC Evolutionary Biology, 17, Article number: 254 (2017)
6. Rozanov A.S., Bryanskaya A.V., Kotenko A.V., Peltek S.E. Draft genome sequence of Thermoactinomyces sp. Gus2-1 isolated from the hot-spring Gusikha in Bargusin Valley (Baikal Rift Zone, Russia) // Genomics Data, 2017, 11:1-2.
7. Брянская А.В., Уварова Ю.Е., Розанов А.С., Слынько Н.М., Шляхтун В.Н., Старостин К.В., Демидов Е.А., Лазарева Е.В., Таран О.П., Пельтек С.Е. Коллекция микроорганизмов ИЦиГ СО РАН как генетический ресурс для биотехнологии // Вавиловский журнал генетики и селекции, 2017, 21(6):630-637.
8. Bryanskaya A.V., Malup T.K., Lazareva E.V., Taran O.P., Rozanov A.S., Efimov V.M., Peltek S.E. The role of environmental factors for the composition of microbial communities of saline lakes in the Novosibirsk region (Russia) // BMC Microbiology, 2016, 16(Suppl 1):4.
9. Пельтек С.Е., Брянская А.В., Уварова Ю.Е., Розанов А.С., Иванисенко Т.В., Малуп Т.К., Иванисенко В.А., Лазарева Е.В., Сайк О.В., Жмодик С.М., Таран О.П., Н.М. Слынько, С.В. Шеховцов, В.Н. Пармон, Н.Л. Добрецов, Н.А. Колчанов. Микробные сообщества экстремальных экосистем; метагеномный подход// Acta Naturae, 2016, 2:199.
10. Rozanov A.S., Bryanskaya A.V., Malup T.K., Kotenko A.V., Peltek S.E. Draft genome sequence of a Halorubrum H3 strain isolated from the Burlinskoye salt lake (Altai Krai, Russia) // Genome annouc., 2015, 3(3), e00566-15.
11. Bryanskaya A.V., Rozanov A.S., Slynko N.M., Shekhovtsov S.V., Peltek S.E. Geobacillus icigianus sp. nov., a thermophilic bacterium isolated from a hot spring // International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology, 2015, 65(3): 864-869.
12. Starostin K.V., Demidov E.A., Bryanskaya A.V., Efimov V.M., Rozanov A.S., Peltek S.E. Identification of Bacillus strains by MALDI TOF MS using geometric approach // Scientific Reports, 2015, 5, Article number: 16989 doi:10.1038/srep16989
13. Rozanov A.S., Bryanskaya A.V., Malup T.K., Lasareva E.V., Taran O.P., Ivanisenko T.V., Ivanisenko V.A., Zhmodik S.M., Kolchanov N.A., Peltek S.E. Molecular Analysis of the Benthos Microbial Community in Zavarzin Thermal Spring (Uzon Caldera, Kamchatka, Russia) // BMC Genomics 2014, 15(Suppl 12):S12 doi:10.1186/1471-2164-15-S12-S12
14. Bryanskaya AV, Rozanov AS, Logacheva MD, Kotenko AV, Peltek SE. Draft genome sequence of Geobacillus icigianus strain G1w1T isolated from hot springs in the Valley of Geysers, Kamchatka (Russian Federation) // Genome Announc., 2014, 2(5):e01098-14. doi:10.1128/genomeA.01098-14.
15. Rozanov AS, Bryanskaya AV, Kotenko AV, Malup TK, Peltek SE. 2014. Draft genome sequence of Anoxybacillus flavithermus strain 25, isolated from the Garga hot spring in the Barguzin Valley, Baikal Region, Russian Federation // Genome Announc., 2014, 2(6):e01258-14. doi:10.1128/genomeA.01258-14.
16. Rozanov A.S., Ivanisenko T.V., Bryanskaya A.V., Shekhovtsov S.V., Logacheva M.D., Saik O.V., Malup T.K., Demenkov P.S., Goryachkovskaya T.N., Ivanisenko V.A., Peltek S.E. Bioinformatics analysis of the genome of Geobacillus stearothermophilus 22 Strain isolated from the Garga hot spring, Baikal Region // Russian Journal of Genetics: Applied Research, 2014, 4(4):267-272.
17. Моделирование эволюции усложнения и упрощения метаболизма прокариот в пространственно-гетерогенных средах // Доклады Международной конференции

- “Математическая биология и биоинформатика”. Под ред. В.Д. Лахно. Том 7. Пущино: ИМПБ РАН, 2018. Статья № e70. doi: 10.17537/icmbb18.15
18. Kochetov AV, Allmer J, Klimenko AI, Zuraev BS, Matushkin YG, Lashin SA. AltORFev facilitates the prediction of alternative open reading frames in eukaryotic mRNAs // Bioinformatics. 2017;33(6):923-925. doi: 10.1093/bioinformatics/btw736.
  19. Klimenko A.I., Mustafin Z.S., Chekantsev A.D., Zudin R.K., Matushkin Yu.G., S.A. Lashin. A review of simulation and modeling approaches in microbiology // Russian Journal of Genetics: Applied Research. 2016, Volume 6, Issue 8, pp 845–853
  20. Sokolov V, Zuraev B, Lashin S, Matushkin Y. Web application for automatic prediction of gene translation elongation efficiency // J Integr Bioinform. 2015;12(1):256. doi: 10.2390/biecoll-jib-2015-256.
  21. Klimenko AI, Matushkin YG, Kolchanov NA, Lashin SA. Bacteriophages affect evolution of bacterial communities in spatially distributed habitats: a simulation study // BMC Microbiol. 2016 Jan 27;16 Suppl 1:10. doi:10.1186/s12866-015-0620-4.
  22. Klimenko A, Matushkin Y, Kolchanov N, Lashin S. Modeling evolution of spatially distributed bacterial communities: a simulation with the haploid evolutionary constructor // BMC Evol Biol. 2015;15 Suppl 1:S3. doi: 10.1186/1471-2148-15-S1-S3.
  23. Lashin SA, Suslov VV, Matushkin YG. Comparative modeling of coevolution in communities of unicellular organisms: adaptability and biodiversity // J Bioinform Comput Biol. 2010 Jun;8(3):627-43.
  24. Medvedev KE, Kolchanov NA, Afonnikov DA. High temperature and pressure influence the interdomain orientation of Nip7 proteins from *P. abyssi* and *P. furiosus*: MD simulations // J Biomol Struct Dyn. 2018 Jan;36(1):68-82. doi: 10.1080/07391102.2016.1268070.
  25. Medvedev KE, Kolchanov NA, Afonnikov DA. Identification of residues of the archaeal RNA-binding Nip7 proteins specific to environmental conditions // J Bioinform Comput Biol. 2017 Apr;15(2):1650036. doi: 10.1142/S0219720016500360.
  26. Medvedev KE, Alemasov NA, Vorobjev YN, Boldyreva EV, Kolchanov NA, Afonnikov DA. Molecular dynamics simulations of the Nip7 proteins from the marine deep- and shallow-water Pyrococcus species // BMC Struct Biol. 2014 Oct 15;14:23. doi: 10.1186/s12900-014-0023-z.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИОГен РАН имени Н.И. Вавилова и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Директор ИЦиГ СО РАН

чл.-корр. РАН

А.В. Кочетов

