

## Сведения

об официальном оппоненте по диссертации Чекалина Евгения Витальевича на тему «Влияние эпигенетических факторов на развитие иммуновоспалительных заболеваний кожи», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – «генетика» и 03.01.09 – «математическая биология, биоинформатика»

Фамилия, имя, отчество официального оппонента, электронная почта	Полное наименование организации, являющейся основным местом работы официального оппонента и занимаемая им должность	Ученая степень, шифр специальности и, по которой защищена диссертация, ученое звание	Список основных публикаций официального оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет
Миронов Андрей Александрович, mironov@bioinf.fbb.msu.ru	Профессор, факультет Биоинженерии и Биоинформатики Московского Государственного Университета им М. В. Ломоносова, 119234, г. Москва, ГСП-1, Ленинские горы МГУ 1, стр. 73, Факультет биоинженерии и биоинформатики, комната 433.	Профессор, Доктор биологических наук 03.01.03 – Молекулярная биология, кандидат физико-математических наук	<ol style="list-style-type: none"> <li>1. Chursov A, Walter MC, Schmidt T, Mironov A, Shneider A, Frishman D. sequence-structure relationships in yeast mRNAs. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2012 Feb 1;40(3):956-962.</li> <li>2. Pervouchine DD, Khrameeva EE, Pichugina MY, Nikolaienko OV, Gelfand MS, Rubtsov PM, Mironov AA. Evidence for widespread association of mammalian splicing and conserved long-range RNA structures. <i>RNA.</i> 2012 Jan;18(1):1-15.</li> <li>3. Favorov A, Mularoni L, Cope LM, Medvedeva Y, Mironov AA, Makeev VJ, Wheelan SJ. Exploring massive, genome scale datasets with the GenometriCorr package. <i>PLoS Comput Biol.</i> 2012; 8(5):e1002529.</li> <li>4. Nikulova AA, Favorov AV, Sutormin RA, Makeev VJ, Mironov AA. CORECLUST: identification of the conserved CRM grammar together with prediction of gene regulation. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2012; 40(12):e93.</li> <li>5. Khrameeva EE, Mironov AA, Fedonin GG, Khaitovich P, Gelfand MS.; Spatial proximity and similarity of the epigenetic state of genome domains.; <i>PLoS One</i>; 2012; 7(3); e33947;</li> <li>6. Nadezda A. Bykova, Alexander V. Favorov, Andrey A. Mironov.; Hidden Markov Models for Evolution and Comparative Genomics Analysis.; <i>PloS One</i>; 2013; 8(6); e65012;</li> <li>7. Soldatov RA, Vinogradova SV, Mironov AA. RNASurface: fast and accurate detection of locally optimal potentially structured RNA segments. <i>Bioinformatics.</i> 2014;30(4):457-63</li> <li>8. Kaufmann S, Fuchs C, Gonik M, Khrameeva EE, Mironov AA, Frishman D.: Inter-chromosomal contact networks provide</li> </ol>

			<p>insights into Mammalian chromatin organization. PLoS One. 2015. 10(5):e0126125</p> <p>9. Vinogradova SV, Sutormin RA, Mironov AA, Soldatov RA. Probing-directed identification of novel structured RNAs. RNA Biol. 2016. 13(2):232-242.</p> <p>10. Korostelev YD, Zharov IA, Mironov AA, Rakhmaininova AB, Gelfand MS.;dentification of Position-Specific Correlations between DNA-Binding Domains and Their Binding Sites. Application to the MerR Family of Transcription Factors;PLoS One;2016;Sep 30;11(9);e0162681</p>
--	--	--	--