

ОТЗЫВ НА АВТОРЕФЕРАТ

Диссертационной работы ЧУХРЯЕВОЙ Марины Игоревны
«Сравнительный анализ генофондов популяций индоевропейской и других лингвистических семей в зонах их контактов», представленной на соискание
ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 –
генетика.

Проблема прародин и расселения индоевропейцев является одной из самых дискуссионных проблем науки. В комплексное изучение этой проблем включены археологи, историки, антропологи, генетики и лингвисты.

Многочисленность популяций, принадлежащих к индоевропейской языковой семье, сложность этногенеза народов и индоевропейской проблематики в целом делает невозможным решение этой проблем одной наукой или в одном комплексном исследовании. Но, подробное изучение структуры генофонда народов, принадлежащих к индоевропейской языковой семье, может пролить свет на отдельные этапы формирования и взаимодействия народов данного региона. Изучение современными методами популяций разных групп индоевропейской семьи также способствует этому. Поэтому исследование популяций армян и народов балто-славянской языковой семьи, выполненное в рамках диссертационного исследования Чухряевой М.И. очень важно для изучения процесса расселения индоевропейцев.

Отдельно стоит отметить использование в диссертационном исследовании разных систем маркеров Y-хромосомы и панели аутосомных маркеров. Такое сочетание позволяет получить максимально объективные выводы. Так, благодаря такому подходу удалось показать, что частная корреляция генетических (Y-хромосомных) и лингвистических данных для народов балто-славянской языковой семьи равна нулю, для генетических и географических данных – 0,81. Следовательно, генофонд современных славян был сформирован преимущественно за счет автохтонного субстрата, а влияние древних славян было преимущественно культурным и языковым. Эти же результаты подтверждает и поиск общих SNP маркеры для всех народов индоевропейской языковой семьи по полногеномным данным (панель GenoChip). Анализ комплексов сравнения показал, что распространение индоевропейских языков лучше объясняется моделью культурного заимствования, а не демической экспансии для всего массива изученных популяций.

Но полученные в рамках данного диссертационного исследования результаты имеют не только научную, но и несомненную практическую значимость. Так, совокупность полученной информации о структуре генофонда изученных народов обеспечит проведение генетико-демографического мониторинга, включая

прогнозирование изменений генофонда в результате продолжающихся массовых миграций и межэтнических браков. А база данных по распределению панели 17 STR маркеров Y-хромосомы (набор Y-filer) в изученных популяциях может использоваться в судебно-медицинской экспертизе в качестве референсной базы при идентификации патрилинейного родства и определении районов возможного происхождения искомым Y-гаплотипов.

Исследование выполнено на высоком методическом уровне с использованием современных подходов статистико-генетического анализа результатов генотипирования и визуального представления полученных результатов. Ключевые положения диссертации полностью отражены в опубликованных статьях и представлены на многочисленных конференциях.

Диссертационной работы Чухряевой Марины Игоревны полностью соответствует всем требованиям, представленным в «Положении о присуждении ученых степеней» (утверждено постановлением правительства РФ от 24.09.2013 №842), а ее автор заслуживает присуждения искомой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – генетика.

Главный научный сотрудник
ФГБУН «Федеральный исследовательский
центр Южный научный центр
Российской академии наук», д.б.н.

И.В. Корниенко



Содержит 1 н.с. ЮНЦ РАН
д.б.н. И.В. Корниенко
Членский секретарь ЮНЦ РАН
Булогина А.И.

14.11.2018