

ОТЗЫВ

**на автореферат диссертации Хаджиевой Мариам Борисовны
"Генетические ассоциативные исследования риска развития
пролапса тазовых органов", представленной на соискание ученой
степени кандидата биологических наук
по специальности 03.02.07 - генетика**

Оперативные вмешательства по коррекции выпадения матки и влагалища занимают третье место после хирургических операций по поводу доброкачественных опухолей и эндометриоза, а до 30% женщин, перенесших хирургическое лечение, нуждаются в повторной операции вследствие рецидива пролапса тазовых органов. По своей природе пролапс тазовых органов (ПТО) представляет собой мультифакториальное заболевание, формирующееся при совместном участии генетических и средовых факторов. Широко обсуждается вовлеченность генов, участвующих в синтезе и деградации компонентов соединительной ткани влагалища и гены рецепторов эстрогенов и прогестерона в патогенез данного заболевания. Однако практически неизученными остаются генетические факторы риска развития ПТО в российских популяциях.

Диссертационная работа Хаджиевой М.Б. посвящена поиску полиморфных вариантов, ассоциированных с повышенным риском развития и клинического проявления пролапса тазовых органов. Выбор исследуемых генов и ДНК-полиморфизмов основан на анализе функций этих генов и патогенетической вовлеченности в ПТО. При выборе генов и ДНК-полиморфизмов автором корректно использованы международные базы данных и биоинформатические ресурсы. Частности, автором обоснована целесообразность использования ресурса RegulomeDB для подбора полиморфных вариантов при планировании генетико-ассоциативных исследований. Автором впервые исследованы ассоциации полиморфных вариантов (TagSNPs) генов *FBLN5*, *LOXL1* и *FBLN3* с пролапсом тазовых органов. Для гена *FBLN5* диссертантом выявлен рисковый гаплотип, состоящий из 12 аллелей. Выявлены значимые ассоциации исследованных генетических маркеров с клинически значимыми факторами риска ПТО, такими как неоднократные роды, макросомия плода, травмы мягких родовых путей.

Объем выполненного исследования и корректно примененные методы генетико-статистического анализа свидетельствуют о репрезентативности материалов и высокой степени доверия полученным результатам. Следует отметить, что диссертационное исследование Хаджиевой М.Б. выполнено на высоком методическом уровне в полном соответствии с международными требованиями STREGA, предъявляемыми к выполнению исследований, направленных на поиск генетических ассоциаций при распространенных мультифакториальных заболеваниях.

