

Российская Академия Наук

Программа фундаментальных исследований президиума РАН
«ЖИВАЯ ПРИРОДА: СОВРЕМЕННОЕ СОСТОЯНИЕ И ПРОБЛЕМЫ РАЗВИТИЯ»

**Подпрограмма
"ДИНАМИКА И СОХРАНЕНИЕ ГЕНОФОНДОВ"**



**ПРОГРАММА
ОТЧЕТНОЙ КОНФЕРЕНЦИИ**

2 декабря 2014 года

МОСКВА
Федеральное государственное бюджетное учреждение науки
Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук

ОТКРЫТИЕ КОНФЕРЕНЦИИ

10.00-10.10 **Вступительное слово** - Координатор Подпрограммы член-корреспондент РАН И.А. Захаров-Гезехус

Динамика генофондов природных популяций

(Куратор – д.б.н., Д.В. Политов)

10.10 **Политов Д.В.** Молекулярные механизмы сохранения генетического разнообразия и факторы эволюции и адаптации популяционных генофондов в условиях динамично изменяющейся среды (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

10.20 **Животовский Л.А.** Генетическая структура популяций лососевых рыб Дальнего Востока (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

10.30 **Васильев В.П.** Клонально-бисексуальные комплексы рыб: разнообразие генетических структур, происхождение, полиплоидия (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

10.40 **Рысков А.П.** Изучение генофонда природных популяций рептилий и рыб на основе молекулярных маркеров ядерного и митохондриального генома (Институт биологии гена РАН)

10.50 **Орлов В.Н.** Динамика генетической структуры популяций млекопитающих лесных экосистем Русской равнины и Кавказа в послеледниковье (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

11.00 **Ляпунова Е.А.** Неравномерность темпов преобразования разных генетических систем у природных модельных групп животных (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

11.10 **Котенкова Е.В.** Филогеография и внутривидовая структура домовых мышей надвидового комплекса *Mus musculus sensu lato* европейской части России и сопредельных территорий (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

ПЕРЕРЫВ

11.20-12.00

12.00 **Лавренченко Л.А.** Взаимодействие процессов интеграции и дифференциации генофондов при естественной гибридизации млекопитающих как фактор микроэволюции и источник формообразования (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

12.10 **Захаров-Гезехус И.А.** Изучение генетических механизмов формирования генофондов природных популяций насекомых (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

12.20 **Муха Д.В.** Разработка новых молекулярно-генетических маркеров для изучения структуры и дифференциации популяций насекомых - представителей отряда Таракановые (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

12.30 **Пасюкова Е.Г.** Исследование структурно-функциональной изменчивости генов, контролирующих продолжительность жизни, в популяциях *Drosophila melanogaster* (Институт молекулярной генетики РАН)

12.40 **Макеев В.Ю.** Изучение роли рекомбинации в возникновении и последующей эволюционной динамике микросателлитов с применением анализа их геномного окружения (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

12.50 **Балановский О.П.** Динамика генофонда народонаселения Северной Евразии под влиянием миграций тюркоязычных популяций (Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова РАН)

13.00 **Хуснутдинова Э.К.** Полногеномный анализ ядерной и митохондриальной ДНК в популяциях Волго-Уральского региона (Института биохимии и генетики Уфимского научного центра РАН)

ПЕРЕРЫВ (ОБЕД)

13.10-14.00

Инвентаризация и сохранение генофондов домашних животных и культурных растений

(Кураторы – член-корр. РАН И.А. Захаров-Гезехус, д.б.н. А.М. Кудрявцев)

14.00 **Сулимова Г.С.** Популяционно-генетические основы сохранения генофондов домашних животных (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

ПЕРЕРЫВ

14.10-14.15

Современные технологии преобразования генофондов

(Кураторы – академик С.Г. Инге-Вечтомов, академик В.К. Шумный)

14.15 **Савватеева-Попова Е.В.** Функциональная нейрогеномика моторных и когнитивных функций у разных видов насекомых (Институт физиологии им. И.П. Павлова РАН)

14.25–14.30

ПЕРЕРЫВ

Генетическая безопасность

(Куратор – член-корр. РАН Н.К. Янковский)

14.30 **Абилев С.К.** Изучение органной специфичности генотоксического действия химических соединений с целью прогноза их канцерогенного потенциала (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

- 14.40 **Жукова О.В.** Генетические процессы в населении России и сопредельных стран (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)
- 14.50 **Удина И.Г.** Влияние генетико-демографических процессов на генетическую безопасность мегаполисов (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)
- 15.00 **Рубанович А.В.** Генотипическая и средовая изменчивость чувствительности к генотоксическим воздействиям и предрасположенность к широко распространенным заболеваниям (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)
- 15.10 **Инге-Вечтомов С.Г.** Изучение первичных повреждений генетического материала и их дальнейших превращений с использованием альфа-теста у дрожжей *Saccharomyces cerevisiae* (СПб филиал Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)
- 15.20 **Кузин Б.А., Симонова О.Б.** Оценка опасности малых доз радиации для организмов, обременённых гипоморфными мутациями генов, участвующих в ответе клеток на оксидативный стресс (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)
- 15.30 **ЗАКРЫТИЕ КОНФЕРЕНЦИИ**

ОТЧЕТНЫЕ МАТЕРИАЛЫ, представленные на стенде

Динамика генофондов природных популяций (Куратор – д.б.н., Д.В. Политов)

Артамонова И.И. Соотношение разных типов полиморфизмов в микро- и минисателлитных участках ДНК (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

Янковский Н.К. Природные и антропогенные факторы формирования популяционно-генетических различий у человека (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

Андропова Е.В. Структура и возобновление межвидовых эволюционных комплексов у орхидных (на примере родов *Cypripedium*, *Dactylorhiza*, *Orchis*, *Ophrys*) и разработка методик сохранения редких видов (Ботанический институт им. В.Л. Комарова РАН)

Родионов А.В. Динамика изменений генов и спейсеров в районе 35SpPHK и генов центромерных белков в ходе дивергенции таксонов разного уровня у дикорастущих злаков (Ботанический институт им. В.Л. Комарова РАН)

Кузнецова В.Г., Абрамсон Н.И. Анализ закономерностей эволюции геномов и эволюционной истории модельных групп эукариотов на основе цитогенетических и молекулярных данных (Зоологический институт РАН)

Петрова М.А. Мобильные элементы современных и древних природных бактерий и их роль в распространении генов устойчивости к антибиотикам и ртути (Институт молекулярной генетики РАН)

Дгебуадзе Ю.Ю. Закономерности современных инвазий и послеледникового расселения гидробионтов, выявляемые генетическими методами (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

Холодова М.В. Анализ филогеографической структуры и генетического разнообразия промысловых и охраняемых видов позвоночных России в контексте пространственно-временных изменений их генофондов (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

Чабовский А.В. Генетическая структура и динамика пространственно подразделенных популяций сусликов: факторы изоляции и риски вымирания (Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН)

Ильинов А.А. Состояние генофонда сосны обыкновенной *Pinus sylvestris* L. в Карелии (Институт леса Карельского НЦ РАН)

Жданова Н.С. Изучение кэпинга теломер в клетках бурозубок (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Малярчук Б.А. Молекулярная филогеография и адаптация популяций человека в Северной Евразии (Институт биологических проблем Севера ДВО РАН)

Инвентаризация и сохранение генофондов домашних животных и культурных растений (Кураторы – член-корр. РАН И.А. Захаров-Гезехус, д.б.н. А.М. Кудрявцев)

Богданов Ю.Ф. Иммуноцитохимическое исследование фенотипического проявления мутантных генов мейоза у ржи *Secale cereale* L. (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

Войлоков А.В. Инвентаризация, сохранение и изучение аллелофлора петергофской генетической коллекции ржи *Secale cereale* L. с целью расширения сферы её использования в генетике и селекции (СПб филиал Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

Демидов А.С. Генетическая идентификация и паспортизация коллекций ценных видов и сортов растений с использованием биохимических и ДНК-маркеров (Главный ботанический сад им. Н.В. Цицина РАН)

Мельникова Н.В. Изучение разнообразия генов, кодирующих ингибиторы протеиназы типа Кунитца в различных сортах культурного картофеля и ряда видов рода *Solanum* (Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта РАН)

Кочнева Е.З. Комплексное молекулярно-генетическое исследование генофонда гороха *Pisum sativum* и родственных видов бобовых (Центр "Биоинженерия" РАН)

Гончаров Н.П. Создание фен- и генколлекций тетраплоидных пшениц и их использование в селекционно-генетических исследованиях (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Захаров И.К. Генетическая изменчивость видов и адаптация (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Маркель А.Л. Создание и поддержание селекционных моделей доместикации и некоторых патологических состояний для изучения их генетических и эпигенетических механизмов (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Першина Л.А. Разработка и использование технологии ускоренного создания генотипов мягкой пшеницы, несущих пирамиды генов, ответственных за устойчивость к стрессовым факторам (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Современные технологии преобразования генофондов (Кураторы – академик С.Г. Инге-Вечтомов, академик В.К. Шумный)

Пирузян Э.С. Изучение молекулярных механизмов врожденного иммунитета растений (Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН)

Глазков М.В. Изучение механизма формирования искусственного хромосомного домена (транс)гена, обладающего независимой от окружения экспрессией в «хозяйских» хромосомах с целью разработки технологии эффективного и биологически безопасного трансгеноза (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

Григорян Э.Н. Изучение генома тритона *Pleurodeles waltl* как основа для понимания молекулярно-генетических механизмов регенерации (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

Зиновьева Р.Д. Исследование молекулярно-генетических механизмов развития и регенерации глаз позвоночных (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

Озернюк Н.Д. Молекулярно-генетическая регуляция трансдифференцировки сателлитных клеток скелетных мышц крыс в кардиомиоцитарном направлении (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

Евгеньев М.Б. Стрессовые белки животных: эволюция и роль в адаптации к неблагоприятным природным условиям (Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта РАН)

Андреева Л.Е. Оценка влияния экспрессии специализированной ДНК-полимеразы йота человека и некоторых мутагенов на генетическую стабильность трансгенных мышей, рыб и культуры клеток (Институт молекулярной генетики РАН)

Раушенбах И.Ю. Взаимодействие октопаминового и инсулинового сигнальных путей в контроле репродуктивной функции насекомых (модель *Drosophila*) (Институт цитологии и генетики СО РАН)

Митрофанов В.Г. Генетический анализ обонятельных реакций у видов *Drosophila* группы *virilis* в связи с адаптацией к холоду (Институт биологии развития им. Н.К.Кольцова РАН)

Будзин А.А. Создание модели «гуманизированной» мышцы для исследования функциональных регуляторных модулей, появившихся в гене *PRODH* в ходе видообразования человека (Институт биоорганической химии им. академиков М.М.Шемякина и Ю.А.Овчинникова РАН)

Генетическая безопасность (Куратор – член-корр. РАН Н.К. Янковский)

Слынько Ю.В. Генетическая изменчивость чужеродных и экстремобионтных видов рыб и беспозвоночных в пресноводных водоемах РФ и сопредельных стран. Экологические и эволюционные последствия.

Калмыкова А.И. Молекулярный анализ геномных факторов, определяющих устойчивость к внедрению ретротранспозонов у *Drosophila* (Институт молекулярной генетики РАН)

Бурьянов Я.И. Разработка безопасной биоинженерной модификации растения *Camelina sativa* как модели для расширения агробиологического разнообразия, интродукции в новые зоны земледелия и применения в современной биотехнологии (Институт биоорганической химии им. академиков М.М.Шемякина и Ю.А.Овчинникова РАН)

Салина Е.А. Поиск и перенос новых генов устойчивости к грибным болезням в яровые и озимые генотипы пшеницы (Институт цитологии и генетики СО РАН)

В Программе конференции указаны ФИО руководителя, название Проекта и название организации

Конференция состоится 2 декабря 2014 года в конференц-зале Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН по адресу: Москва, ул. Губкина, дом 3

Проезд: от ст. метро "Ленинский проспект" трамвай 14 и 36 в сторону метро "Университет" до ост. "ул. Губкина" от ст. метро "Октябрьская" и "Ленинский проспект" автобус № 111 и троллейбусы №№ 4, 33, 33к, 62, 84 до ост. "Универмаг Москва"

от м. "Университет" трамвай 14 или 36 до ост. "ул. Губкина" или троллейбус 4 до ост. "Универмаг Москва"

от м. "Академическая" пешком – 15 мин

